



БИООРГАНИЧЕСКАЯ ХИМИЯ

том 8 * № 4 * 1982

ПИСЬМА РЕДАКТОРУ

УДК 547.963.32.04

ВЫДЕЛЕНИЕ ПРОМОТОРОВ *rrnB* *Escherichia coli*

Гуревич А. И., Аваков А. Э., Игошин А. В.,
Колосов М. Н.

Институт биоорганической химии им. М. М. Шемякина
Академии наук СССР, Москва

В быстро растущих клетках *E. coli* около половины всех синтезируемых РНК приходится на долю рибосомных, хотя их гены (семь оперонов *rrn*) в сумме составляют меньше 0,5% генома бактерии. Поэтому считают (см. [1] и цитированные там работы), что сродство РНК-полимеразы к промоторам *rrn* по крайней мере на порядок превышает среднюю величину ее сродства к другим промоторам. В связи с этим мы осуществили выделение коротких рестриктных фрагментов из инициаторной области оперона *rrnB* с целью использовать их в качестве переносных промоторов для конструирования функционально-активных искусственных генов.

Исходным веществом в этой работе являлась ДНК трансдуцирующего фага *λrif^d47*, у которого начало гена *rrnB* находится в *EcoRI*-фрагменте H_2 длиной около 2400 п.о. [2] (рис. 1). Для препаративного получения этого фрагмента *EcoRI*-гидролизат фаговой ДНК разделяли электрофорезом в 1% агарозном геле, смесь близких по величине фрагментов H_1 и H_2 выделяли электроэлюзией, лигировали с *EcoRI*-расщепленным вектором pBRH4 [3] и клонировали в *E. coli* HB101, отбирая трансформанты на сре-де, содержащей 20 мкг/мл тетрациклина. При рестриктном анализе плазмидной ДНК из Тс'-колоний была обнаружена рекомбинантная плазмида, которая содержит *EcoRI*-вставку ожидаемого размера и при гидролизе эндонуклеазой *HindIII* дает фрагмент величиной 570 п.о. Эта плазмида, обозначенная pRRN1, послужила источником *EcoRI*-фрагмента H_2 для дальнейшей работы.

Ранее была определена нуклеотидная последовательность инициаторной области [4] и всего оперона *rrnB* [5]. Было установлено, что синтез РНК на этом и других оперонах *rrn* начинается с двух промоторов (P_1 и P_2), которым предшествует протяженный участок с повышенным содержанием А·Т-пар и несколькими потенциальными сайтами узнавания РНК-полимеразы, что, возможно, способствует быстрой инициации транскрипции [4]. Поэтому представляло интерес выделить из инициаторной области *rrnB* оба промотора и этот участок, чтобы исследовать их независимо.

Для выделения промотора P_2 мы гидролизовали фрагмент *EcoRI*- H_2 эндонуклеазой *ThaI* (при 60° С), а затем *BspRI*. Образовавшуюся смесь субфрагментов лигировали с самокомплементарным синтетическим тетрадекануклеотидом ATCCGAATTCTGGAT, обрабатывали эндонуклеазой *EcoRI* и клонировали в *EcoRI*-сайте вектора pBR322mpT5 [6]. Реципиентом служила *E. coli* HB101, селекцию трансформантов проводили на устойчивость к тетрациклину. Структура полученной рекомбинантной плазмиды pRRN2, содержащей фрагмент (I) оперона *rrnB*, приведена на рис. 2.

Аналогичным путем был выделен tandem промоторов P_1+P_2 (фрагмент (II) на рис. 1); единственное отличие состояло в том, что в этом случае была опущена стадия гидролиза эндонуклеазой *BspRI*. Клонирование проводили с тем же линкером и в том же векторе, полученная плазмида обозначена pRRN3.

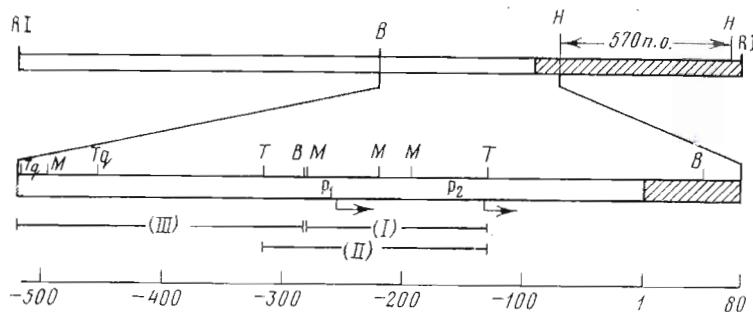


Рис. 1. Физическая карта EcoRI-фрагмента H₂ ДНК λ rif⁴⁷. Нумерация нуклеотидов от точки, соответствующей 5'-концу зрелой 16S рrНК (заштрихована рДНК). Стрелками отмечены старты транскрипции оперона *rrnB* с промоторами P₁ и P₂. Показано расположение сайтов эндонуклеаз EcoRI (RI), HindIII (H), BspRI (B), MspI (M), *TaqI* (T) и *TaqXI* (Tq). Римскими цифрами обозначены фрагменты ДНК, клонированные в настоящей работе

Предшествующий промоторам А·Т-богатый участок (III) был вырезан из EcoRI-фрагмента H₂ эндонуклеазой BspRI, выделен электрофорезом в 5% полиакриламидном геле (ПАГ), спит с линкером ATCCGAATTCTGGAT и гидролизован нуклеазой EcoRI. Полученный EcoRI-фрагмент длиной 219 п.о. метили по 3'-концу [α -³²P]dATP+ [α -³²P]TTP с помощью ДНК-полимеразы I (фрагмент Кленова) и расщепляли эндонуклеазой MspI на субфрагменты (длиной 34 и 189 п.о.), которые выделяли в чистом виде электрофорезом в 5% ПАГ. С другой стороны, тот же фрагмент EcoRI-219 клонировали в векторе pBR322, отбирая трансформанты с рекомбинантными плазмидами путем гибридизации колоний по методу [7] с радиоактивными фрагментами EcoRI/Msp-189 и EcoRI/Msp-34. В результате была выделена плазмида pRRN4, в которой фрагмент (III) ориентирован по отношению к промотору *P_{tet}* вектора так же, как к промотору P₂ в опероне *rrnB*.

Нуклеотидная последовательность *rrn*-вставок (I)–(III) в плазмidaх pRRN2 – pRRN4 была определена на 5'- и 3'-меченых EcoRI-фрагментах. Для разделения концевых меток эти фрагменты гидролизовали нуклеазой BspRI или MspI (или денатурировали нагреванием в 75% диметилсульфоксида) и мономеченные субфрагменты (или комплементарные цепи) выделяли электрофорезом в 5% ПАГ; частичную химическую модификацию и электрофорез в 10 и 15% денатурирующем ПАГ проводили как описано [8]. Полярность вставок (I) и (II) в плазмidaх pRRN2 и pRRN3 была доказана определением нуклеотидной последовательности MspI-фрагментов, расщепляющихся нуклеазой EcoRI. Для определения полярности вставки (III) плазмиду pRRN4 расщепляли нуклеазой HindIII, метили по 3'-концу по методу [9] и гидролизовали MspI; при этом наряду с фрагментом HindIII/MspI-132 (присоединяющим из участка 30–161 ДНК pBR322) образовался HindIII/MspI-фрагмент длиной 221 п.о.

Таким образом, нами получены рекомбинантные плазмиды pRRN2 – pRRN4, несущие однопромоторный (I), двухпромоторный (II) и предпромоторный (III) фрагменты инициаторной области оперона *rrnB*. Найденная в них суммарно нуклеотидная последовательность (III–I) полностью соответствует опубликованной ранее [4] с учетом более позднего уточнения [5], которое нами дополнительно подтверждено расщеплением фрагмента (III) в положении –448 эндонуклеазой *TaqXI* (сайт CC↓↓(A/T)GG [10]). Функциональную активность этих фрагментов, т. е. их влияние на экспрессию гена *tet* в рекомбинантной плазмиде, оценивали косвенно, по резистентности бактериальной клетки к тетрациклину, которую измеряли методом [11]. Во всех случаях величина EOP₅₀ плазмид серии pRRN оказалась значительно выше, чем у pBR322. Следует особо отметить, что по сравнению с исходным вектором рекомбинантная плазмида pRRN4 вызывала у *E.coli* повышение устойчивости к тетрациклину

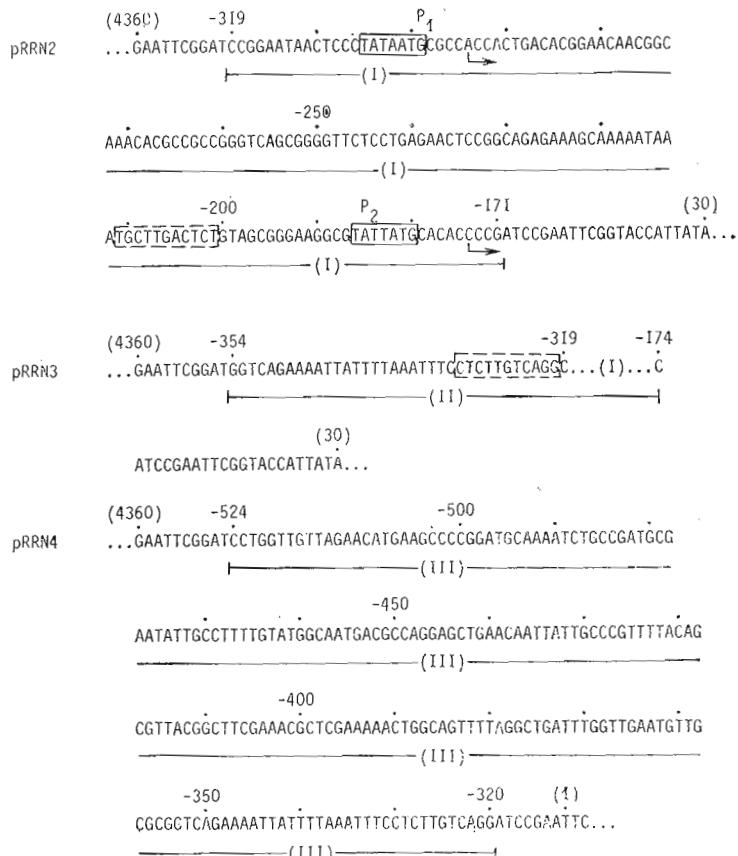


Рис. 2. Структура рекомбинантных плазмид, содержащих фрагменты (I) – (III) инициаторной области оперона *rrnB*. Приведена нуклеотидная последовательность верхней цепи ДНК. Концевые нуклеотиды этой последовательности (и не показанная на рисунке ДНК за их пределами) принадлежат pBR322; ихnumерация дана в скобках и соответствует использованной Сатклиффом [12]. Обозначение фрагментов и отрицательная нумерация нуклеотидов те же, что на рис. 1. В сплошные рамки заключены Прибою-боксы, в пунктирные — «область –35» промоторов P₁ и P₂. Стрелками отмечены старты транскрипции

в 2 раза, откуда следует, что вставка фрагмента (III) непосредственно перед промотором P_{rel} вдвое увеличивает интенсивность транскрипции.

Авторы выражают благодарность И. А. Басс за плазмиду pBRH4, В. Г. Коробко за плазмиду pBR322mpt5 и В. Н. Добрынину за синтетический линкер.

ЛИТЕРАТУРА

- Young R. A., Steitz J. A. Cell, 1979, v. 17, № 1, p. 225–234.
- Гуревич А. И., Аваков А. Э., Киселева О. А., Данилевская О. Н., Ковалев Ю. Н. Биоорганс. химия, 1980, т. 6, № 8, с. 1196–1204.
- Rodríguez R. L., West R. W., Heyneker H. L., Bolívar F., Boyer H. W. Nucl. Acids Res., 1979, v. 6, № 10, p. 3267–3287.
- Csordás-Tóth E., Boros I., Venetianer P. Nucl. Acids Res., 1979, v. 7, № 8, p. 2189–2197.
- Brosius J., Dull T. J., Sleeter D. D., Noller H. F. J. Mol. Biol., 1981, v. 148, № 2, p. 107–127.
- Коробко В. Г., Добрынин В. Н., Чупило С. А., Северцова И. А., Шингарова Л. Н., Колосов М. Н. Биоорганс. химия, 1981, т. 7, № 2, с. 309–312.
- Grunstain M., Wallis J. In: Methods in Enzymology. Vol. 68. Recombinant DNA/Ed. Wu R. N. Y.: Acad. Press, 1979, p. 379–389.
- Maxam A. M., Gilbert W. Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 1977, v. 74, № 2, p. 560–564.
- Гуревич А. И., Аваков А. Э. Биоорганс. химия, 1979, т. 5, № 2, с. 301–304.

10. Грачев С. А., Мамаев С. В., Гуревич А. И., Игошин А. В., Колосов М. Н., Слюсаренко А. Г. Биоорганская химия, 1981, т. 7, № 4, с. 628–630.
11. Tait R. C., Rodriguez R. L., Boyer H. W. Mol. Gen. Genet., 1977, v. 151, № 3, p. 327–331.
12. Sutcliffe J. G. C. S. H. Symp. Quant. Biol., 1978, v. 43, p. 77–90.

Поступило в редакцию
7.XII.1981

ISOLATION OF *rrnB* PROMOTERS OF *ESCHERICHIA COLI*

GUREVICH A. I., AVAKOV A. E., IGOSHIN A. V., KOLOSOV M. N.

*M. M. Shemyakin Institute of Bioorganic Chemistry, Academy
of Sciences of the USSR, Moscow*

A 2400 b.p. long *Eco*RI fragment of phage *λrifd47* DNA (Fig. 1) carrying a proximal portion of *E. coli* ribosomal RNA operon *rrnB* was used to construct a series of recombinant plasmids pRRN (Fig. 2) which contain the promoter region of *rrnB* or fragments thereof. The first plasmid, pRRN1, was obtained on cloning the *Eco*RI fragment into the respective site of pBRH4 vector and was employed for preparation of this fragment for subsequent constructions. Hydrolysis of the *Eco*RI fragment with restriction enzymes *Tha*I and then *Bsp*RI or with *Tha*I alone followed by cloning into vector pBR322mpt5 with the synthetic *Eco*RI linker ATCCGAATTCGGAT resulted in recombinant plasmids pRRN2 and pRRN3, respectively. An A-T-rich sequence upstream from the *rrnB* promoters was cut off the *Eco*RI fragment with restriction enzyme *Bsp*RI and cloned with the same linker into the *Eco*RI site of pBR322 to yield the recombinant plasmid pRRN4. As compared with pBR322, the four pRRN plasmid were found by the EOP₅₀ method [11] to confer to *E. coli* a significantly higher resistance against tetracycline. With the last plasmid, the antibiotic resistance was twice as high as that of pBR322, the presence of the A-T-rich sequence immediately upstream from the promoter thus appearing to strongly influence the rate of the transcription.