



БИООРГАНИЧЕСКАЯ ХИМИЯ

том 5 * № 9 * 1979

УДК 547.963.32+577.23

ПОЛУЧЕНИЕ ГИБРИДНЫХ ПЛАЗМИД С ДВУМЯ РЕПЛИКОНАМИ *ColeE1*

**Берлин Ю. А., Лебеденко Е. Н., Шпаковский Г. В.,
Коротков К. О.**

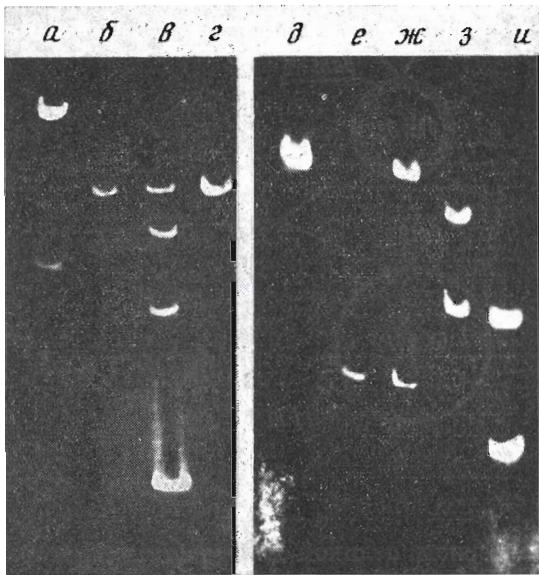
*Институт биоорганической химии им. М. М. Шемякина
Академии наук СССР, Москва*

Методом рекомбинации *in vitro* из плазмид pBR322 (*Ap^rTc^r*) и СКΔ11 (*Km^r*) получены гибридные плазмиды pBR322/*EcoRI*—СКΔ11/*EcoRI* (pLCG1) и pBR322/*HindIII*—СКΔ11/*HindIII* (pLCG2); с помощью рестрикционного анализа установлена взаимная ориентация обоих фрагментов в pLCG1. Фенотипические характеристики гибридных плазмид (соответственно *Ap^rTc^rKm^r* и *Ap^rTc^sKm^r*) показывают, что рестриктаза *EcoRI* не затрагивает детерминантов устойчивости к антибиотикам у обеих исходных плазмид, а *HindIII*, оставляя неизмененными участки *Km^r* у СКΔ11 и *Ap^r* у pBR322, инактивирует участок *Tc^r* у pBR322. Плазмида pLCG1 может быть использована в качестве клонирующего вектора (по *BamHI*-сайту); отбор рекомбинантов основывается на фенотипическом переходе *Ap^rTc^rKm^r→Ap^rTc^sKm^r*.

При структурном и функциональном изучении нуклеиновых кислот в качестве векторов для клонирования и амплификации ДНК широко используются производные многокопийной колициногенной плазмиды *ColeE1*, репликация которых находится под ослабленным контролем клетки и которые содержат детерминанты устойчивости к различным антибиотикам, служащие маркерами при отборе рекомбинантов [1]. Одно из таких производных, плазмида pBR322, несет детерминанты устойчивости к ампициллину и тетрациклину и содержит несколько уникальных участков узнавания эндонуклеаз рестрикций (главным образом в *Tc^r*-области), пригодных для встраивания чужеродной ДНК [2].

Изучая влияние таких вставок на фенотип образующихся рекомбинантов, мы, чтобы упростить последующую селекцию, использовали в качестве второго компонента рекомбинации *in vitro* ДНК с характерным фенотипическим выражением — плазмиду СКΔ11, которая вызывает устойчивость к антибиотику канамицину и, подобно pBR322, содержит репликон *ColeE1* [3]. Эти плазмиды расщепляли рестриктазой *EcoRI* и образовавшиеся линейные ДНК спивали ДНК-лигазой в два этапа — сначала при более высокой концентрации ДНК, благоприятствующей межмолекулярной спивке, а затем при более низкой концентрации, способствующей замыканию в кольцевые молекулы [4, 5]. Полученной смесью продуктов лигирования трансформировали клетки безрестриктазного штамма *E. coli*, отбирая трансформанты, устойчивые к тетрациклину, ампициллину и канамицину. Первичный анализ *Ap^rTc^rKm^r*-клонов проводили с помощью гель-электрофореза лизатов отдельных колоний [6]; о наличии в лизате рекомбинантной ДНК судили по появлению на электрофорограмме полосы ДНК с меньшей

Рис. 1. Электрофорез ДНК в 1% агарозном геле (направление движения веществ сверху вниз): *a* — pLCG1, *b* — pLCG1/*Bam* H1, *c* — pLCG1/*Bam* H1 (верхняя полоса) и смесь маркеров (сверху вниз: pRSF2124/*Eco* RI, СКΔ11/*Eco* RI, pBR322/*Eco* RI), *g* — то же, что *b*, но из другого клона, *d* — СКΔ11/*Eco* RI, *e* — pBR322/*Eco* RI, *ж* — pLCG1/*Hind* III, *з* — pLCG1/*Hind* III, *и* — СКΔ11/(*Eco* RI + *Hind* III)



подвижностью, чем у pBR322 и СКΔ11. Из нескольких отобранных таким образом клонов была выделена ДНК, которая затем была гидролизована рестриктазой *Eco* RI. Как показал гель-электрофорез продуктов гидролиза, часть полученных клонов действительно содержит рекомбинантные молекулы ДНК pBR322/*Eco* RI—СКΔ11/*Eco* RI (этую химерную плазмиду мы обозначили pLCG1), которые расщепляются *Eco* RI с образованием линейных форм исходных плазмид pBR322 и СКΔ11 (рис. 1). Трансформация *E. coli* препаратами ДНК pLCG1 свидетельствует о том, что эта плазмода передает бактериальным клеткам фенотипические характеристики выделенных клонов (*Ap*^r*Tc*^r*Km*^r) и, таким образом, действительно содержит детерминанты устойчивости к ампициллину, тетрациклину и канамицину.

Поскольку ДНК СКΔ11, в отличие от pBR322, не содержит сайтов рестриктазы *Bam* H1, то с помощью этой эндонуклеазы химерная плазмода pLCG1 была превращена в линейную форму для определения молекулярного веса с помощью гель-электрофореза; в качестве стандартов при этом использовали полученные с помощью *Eco* RI линейные формы ДНК плазмид pRSF2124 ($M 7,3 \cdot 10^6$) [7], СКΔ11 ($M 5,6 \cdot 10^6$, определено нами с помощью электронной микроскопии, рис. 2; ср. [3]) и pBR322 ($M 2,6 \cdot 10^6$) [2] (см. рис. 1). В результате для pLCG1 была определена величина $M 8,1-8,2 \cdot 10^6$, что согласуется с нашими электрономикроскопическими данными ($8,3 \cdot 10^6$, рис. 2) и показывает, что pLCG1 содержит по одной молекуле pBR322 и СКΔ11.

Аналогично, с помощью рестриктазы *Hind* III была получена гибридная плазмода pBR322/*Hind* III—СКΔ11/*Hind* III (pLCG2), изомерная плазмиде pLCG1. Она сохраняет способность исходных плазмид переносить устойчивость к ампициллину и канамицину, но не к тетрациклину. Это означает, что *Eco* RI не затрагивает детерминантов устойчивости у обеих исходных плазмид, а *Hind* III инактивирует участок *Tc*^r у pBR322, оставляя неизменными участки *Ap*^r у pBR322 (ср. [2]) и *Km*^r у СКΔ11*.

При расщеплении ДНК СКΔ11 рестриктазами *Hind* III и *Eco* RI (рис. 1) были получены два фрагмента с $M 3,5 \cdot 10^6$ и $2,1 \cdot 10^6$ (один из этих фрагмен-

* Сохранение устойчивости к канамицину после обработки *Hind* III отличает *Km*^r-детерминант плазмиды СКΔ11 от аналогичного детерминанта, извлеченного из плазмиды R6 и ранее использованного для конструирования ряда гибридных плазмид [8].

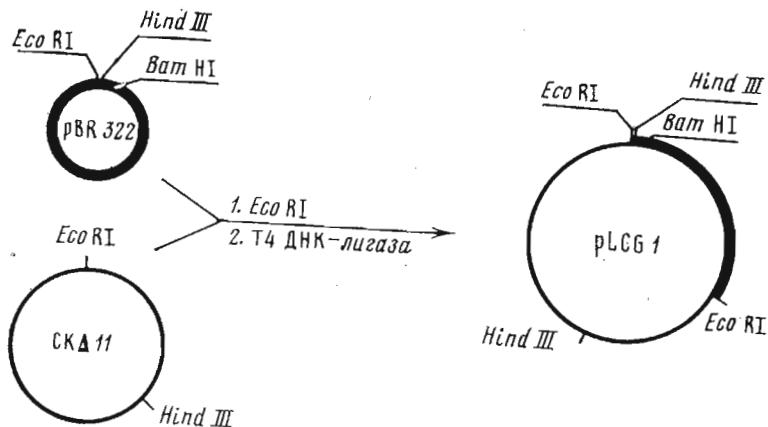


Рис. 3. Получение плазмиды pLCG1

тов содержит целиком Km^r -участок). Расстояние между сайтами EcoRI и HindIII в pBR322 незначительно (29 нуклеотидных пар) [9], поэтому при действии HindIII на pLCG1 один из двух образующихся фрагментов должен быть близок по размерам к одному фрагменту CKΔ11 (EcoRI+ + HindIII), а другой — к сумме pBR322 и второго фрагмента CKΔ11. Величины молекулярного веса, найденные для фрагментов pLCG1/HindIII ($4,6 \cdot 10^6$ и $3,7 \cdot 10^6$; рис. 1), отвечают взаимной ориентации плазмидных компонентов в pLCG1, изображенной на рис. 3.

Для встраивания чужеродной ДНК в плазмиду pLCG1 пригоден сайт BamHI; в этом случае селекция клонов основывается на фенотипическом переходе $Ap^rTc^rKm^r \rightarrow Ap^rTc^sKm^r$. Чужеродную ДНК можно встроить по сайту BamHI и в плазмиду pLCG2, но при этом $Ap^rTc^sKm^r$ -фенотип плазмиды не изменяется, что затрудняет отбор рекомбинантов. Гибридная плазмида pLCG1 сохраняет такие свойства исходных плазмид, как многосторонность и способность амплифицироваться в присутствии хлорамфеникола, благодаря чему она может использоваться в качестве клонирующего вектора, содержащего три маркера-детерминанта устойчивости к антибиотикам.

Экспериментальная часть

Штаммы *E. coli* NM182 (продуцент EcoRI), *E. coli* C600 (CKΔ11) и *E. coli* C600 (pRSF2124) были получены от В. Г. Дебабова (ВНИИГенетика), *E. coli* C600 (pBR322) — от П. Курильского (Институт Пастера), *E. coli* MM294 (pMB9) — от К. Г. Скрябина, *B. amyloliquefaciens* — от П. М. Чумакова (ИМБ АН СССР). Использовали трис, сахарозу (Merck), EDTA, SDS (Serva), хлорамфеникол, дитиотрейт, АТР (Calbiochem), тетрациклин, канамицин, амициллин (Минмедпром СССР), лизоцим (P-L Biochemicals), агарозу (BioRad, Calbiochem), бромистый этидий, бромфеноловый синий, $MgCl_2$ (Sigma), дрожжевой экстракт, триpton, агар (Difco).

Эндонуклеазу EcoRI выделяли по методу [10], HindIII и BamHI — по методикам Р. Робертса, T4 ДНК-лигазу — по методу [11], плазмидную ДНК — по методу [12] или по модифицированному методу [13], трансформацию бактериальных клеток плазмидными ДНК проводили по методу [14], используя в качестве реципиента *E. coli* MM294. Бактериальные культуры, несущие плазмиды, выращивали в присутствии соответствующих антибиотиков в концентрации 20 (тетрациклин), 30 (канамицин) или 100–150 мг/л (амициллин). Бактериальные клоны анализировали на наличие гибридных плазмид по методу [6].

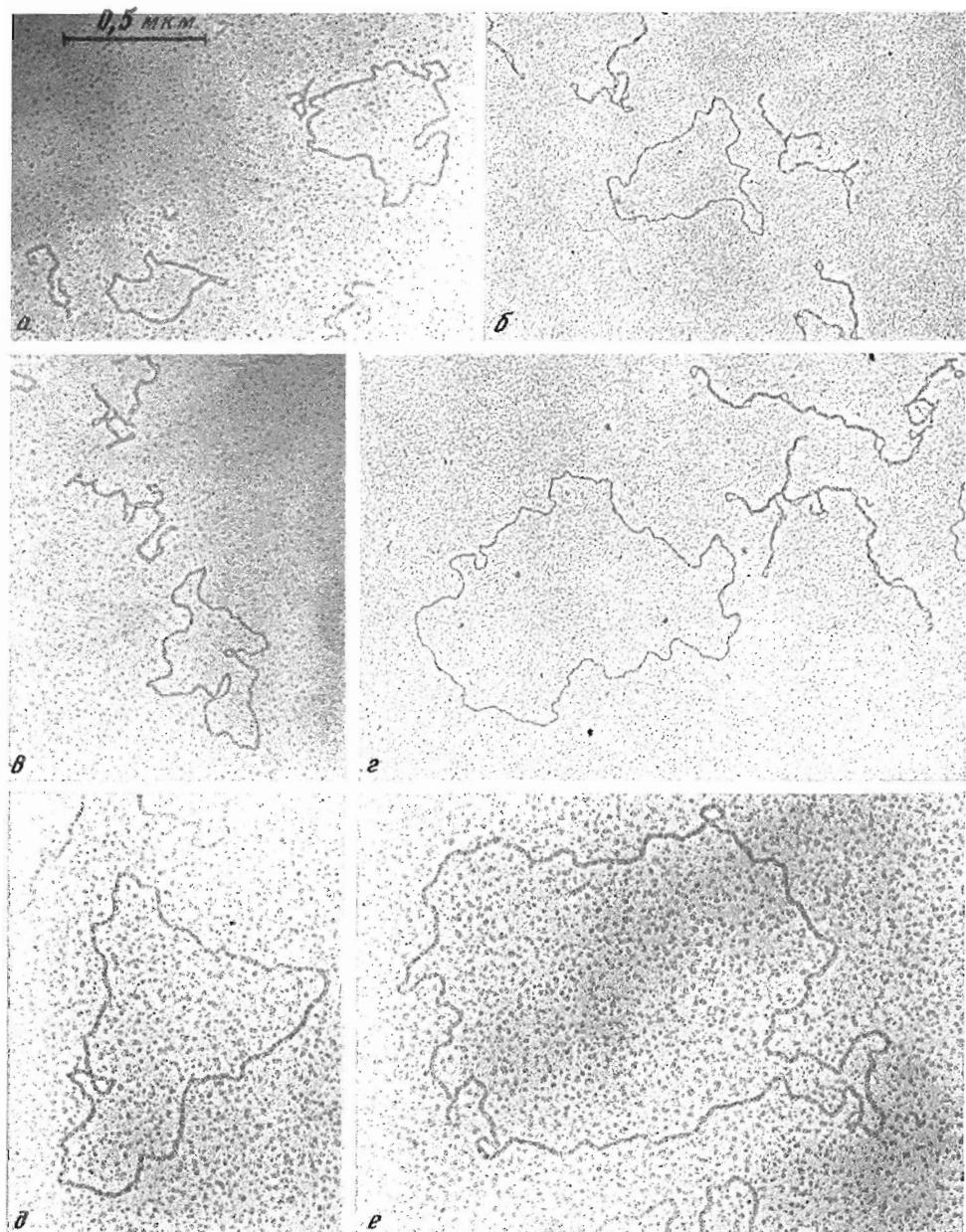


Рис. 2. Электронные микрофотографии плазмидных ДНК (открытые кольца; увеличение $\times 25\,000$; ДНК pBR322 в качестве внутреннего стандарта): *a* – pBR322 и ее димер, *b* – pMB9, *c* – СКА11, *d* – pRSF2124, *d* – pLCG1, *e* – димер pLCG1

Электрофорез ДНК проводили в пластинах ($0,2 \times 15 \times 20$ см) 1% агарозного геля в трис-ацетатном буфере (40 мМ трис, 20 мМ Na-ацетат, 1 мМ Na_2EDTA , 18 мМ NaCl , рН 8,0) при напряжении 7–10 В/см; в качестве маркера использовали бромфеноловый синий. Гель выдерживали 15 мин в водном растворе бромистого этидия (1 мг/л), промывали водой и фотографировали на фотопленку Микрат-300 с красным светофильтром при освещении светом с λ 254 и 366 нм. Электронные микрофотографии плазмидных ДНК получены с помощью микроскопа JEM-100C; образцы приготовлены по водному методу [17]; определения контурной длины ДНК СКД11 и pLCG1 контролировали параллельными определениями для известных плазмид pBR322, pMB9 и pRSF2124 (рис. 2).

Получение плазмидных ДНК. Культуру *E. coli* C600 (pBR322) выращивали при 37° на среде YT-M9 с глюкозой (состав, г/л: дрожжевой экстракт 5, триpton 8, глюкоза 2, NaCl 5, NH_4Cl 1, $\text{CaCl}_2 \cdot 2\text{H}_2\text{O}$ 0,015, Na_2HPO_4 6, KH_2PO_4 3, MgSO_4 0,1), содержащей тетрациклин (20 мг/л) и ампициллин (150 мг/л). После достижения величины D_{550} 0,6–0,8 ($\sim 5 \cdot 10^8$ клеток/мл) прилили спиртовой раствор хлорамфеникола (60 мг/мл) до конечной концентрации 170 мг/л и продолжали ферментацию в течение 12–16 ч. Последующие операции проводили при температуре от 0 до 4° . Клетки отделили центрифугированием (5000г, 20 мин), промывали TES-буфером (25 мМ трис-HCl, рН 7,5, 0,5 мМ EDTA, 0,14 М NaCl), а затем ST-буфером (25% раствор сахарозы (вес/объем) в 50 мМ трис-HCl, рН 8,0). Полученную биомассу (2–2,5 г/л) суспендировали в 10 мл ST-буфера, прибавили 2 мл раствора лизоцима в том же буфере (5 мг/мл), через 30 мин прибавили 2 мл 0,25 М EDTA (рН 8,0), еще через 5 мин – 2 мл 10% SDS, тщательно перемешали, прибавили 5 мл 5 М NaCl и оставили на 15 ч. Центрифугировали 1 ч при 48 000г, получили 15–20 мл осветленного лизата. В 13-мл центрифужную пробирку поместили 9,79 г CsCl и 4 мл TE-буфера (50 мМ трис-HCl, рН 7,4; 1 мМ EDTA), перемешали до максимального растворения CsCl , прилили 5 мл осветленного лизата, осторожно перемешали до полного растворения, прибавили 0,4 мл водного раствора бромистого этидия (10 мг/мл) и осталльную часть пробирки заполнили раствором CsCl ($d = 1,60$). Центрифугировали на роторе Ti-75 (центрифуга Spinco L5-65) в течение 26 ч при 62 000 об/мин, положение полос определяли по свечению в УФ-свете. Через верх пробирки собрали верхнюю зону, затем через боковой прокол – нижнюю зону, содержащую сверхскрученную кольцевую плазмидную ДНК. Бромистый этидий проэкстрагировали изоамиловым спиртом, раствор диализовали против TE-буфера и концентрацию ДНК определили спектрофотометрически (1 ОЕ₂₆₀ соответствует 50 мкг). Выход ДНК около 1 мг из 1 л культуральной жидкости.

Аналогично были получены ДНК плазмид pMB9 [15] и pRSF2124, а также гибридных плазмид pLCG1 и pLCG2; ДНК СКД11 выделяли по методу [12].

Гидролиз эндонуклеазами рестрикции проводили в пробе объемом 20 мкл, содержащей 1 мкг плазмидной ДНК, 1–2 ед. фермента, 10 мМ MgCl_2 и 1 мМ дитиотреит, а также 40 мМ трис-HCl, рН 7,4, и 50 мМ NaCl (*EcoRI*), 6 мМ трис-HCl, рН 7,4, и 50 мМ NaCl (*HindIII*), 10 мМ трис-HCl, рН 7,4 (*BamHI*). При расщеплении ДНК двумя эндонуклеазами сначала использовали ту из них, которая действует при меньшей концентрации NaCl и/или трис-HCl, затем доводили концентрацию соответствующего компонента до нужной величины и проводили гидролиз второй эндонуклеазой. Реакцию прекращали нагреванием при 65° в течение 5 мин, после чего прибавляли 2 мкл раствора бромфенолового синего в 50% сахарозе и проводили электрофорез или же полученную линейную форму плазмидной ДНК использовали для лигазных спивков.

Получение рекомбинантных плазмид pBR322 – СКД11 и трансформация ими клеток *E. coli*. Реакционную смесь (50 мкл), содержащую линейные ДНК pBR322 (0,35 мкг) и СКД11 (0,7 мкг), 10 мМ трис-HCl, рН 7,6;

10 мМ MgCl₂, 10 мМ дитиотрейт, 50 мМ АТР и 20 ед. Т4 ДНК-лигазы [16], инкубировали 3 ч при 12°, разбавили буфером в 4 раза и инкубировали 18 ч при 0°. Полученный раствор добавлением 1 М CaCl₂ довели до концентрации CaCl₂ 30 мМ и использовали для трансформации компетентных клеток *E. coli* MM294 [14] (~5·10⁸ клеток в 0,1 мл 30 мМ CaCl₂) *. После инкубации при 0° (1 ч) и 42° (2 мин) суспензию разбавили 5 мл среды YT (дрожжевой экстракт 5, триптон 8, NaCl 5 г/л), инкубировали 1,5 ч при 37°, часть (0,1 мл) высевали на твердую среду (1,5% агар в среде YT), содержащую различные комбинации ампициллина, тетрациклина и канамицина, и инкубировали 24–48 ч при 37°.

Из полученных клонов (45 Ap^rTc^rKm^r-клонов для EcoRI и 22 Ap^rTc^sKm^r для HindIII) после анализа по методу [6] было отобрано по 4 клона *E. coli* (pBR322/EcoRI-СКΔ11/EcoRI) и *E. coli* (pBR322/HindIII-СКΔ11/HindIII). Их выращивание, выделение плазмидных ДНК и трансформацию этими ДНК клеток *E. coli* проводили, как описано выше. Для pLCG1 число трансформантов на 1 мкг ДНК составило 8·10⁴, для pLCG2 – 2·10⁵.

Авторы благодарны Л. Г. Ждановой и И. М. Грубер за биомассу *H. influenzae*, М. А. Грачеву за биомассу *E. coli* B62 (T4amN82), В. Г. Дебабову, П. Курильски, К. Г. Скрябину, П. М. Чумакову за штаммы микроорганизмов, Н. К. Янковскому за сообщение о длительном хранении компетентных клеток.

ЛИТЕРАТУРА

1. Hershfield V., Boyer H. W., Yanofsky C., Lovett M. A., Helinski D. R. (1974) Proc. Nat. Acad. Sci. USA, 71, 3455–3459.
2. Bolivar F., Rodriguez R., Greene P. J., Betlach M., Heyneker H. L., Boyer H. W., Crosa J., Falkow S. (1977) Gene, 2, 95–113.
3. Kozlov J. I., Kalinina N. A., Gening L. V., Rebentish B. A., Strongin A. Y., Boughsh V. G., Debabov V. G. (1977) Mol. gen. Genet., 150, 211–219.
4. Dugaiczyk A., Boyer H. W., Goodman H. M. (1975) J. Mol. Biol., 96, 171–184.
5. De Vries F. A. J., Collins C. J., Jackson D. A. (1976) Biochim. et biophys. acta, 435, 213–227.
6. Barnes W. M. (1977) Science, 195, 393–394.
7. So M., Gill R., Falkow S. (1975) Mol. gen. Genet., 142, 239–249.
8. Armstrong K. A., Hershfield V., Helinski D. R. (1977) Science, 196, 172–174.
9. Rodriguez R. L., Tait R., Shine F., Bolivar F., Heyneker H., Betlach M., Boyer H. W. (1977) in: Molecular Cloning of Recombinant DNA (Scott W. A., Werner A., eds), pp. 73–83.
10. Tanaka T., Weisblum B. (1975) J. Bacteriol., 121, 354–362.
11. Moore S. K., James E. (1976) Analyt. Biochem., 75, 545–554.
12. Clewell D. B., Helinski D. R. (1969) Proc. Nat. Acad. Sci. USA, 62, 1159–1166.
13. Guerry P., Le Blanc D. J., Falkow S. (1973) J. Bacteriol., 116, 1064–1066.
14. Cohen S. N., Chang A. C. Y., Hsu L. (1972) Proc. Nat. Acad. Sci. USA, 69, 2110–2114.
15. Bolivar F., Rodriguez R. L., Betlach M. C., Boyer H. W. (1977) Gene, 2, 75–93.
16. Panet A., van de Sande J. H., Loewen P. C., Khorana H. G., Lillehaug J. R., Kleppe K. (1973) Biochemistry, 12, 5045–5050.
17. Davis R. W., Simon M., Davidson N. (1971) in: Methods of Enzymology (Grossman L., Moldave K., eds), v. XXI, pp. 413–428.

Поступила в редакцию
5.IV.1979

* При хранении клеток *E. coli* MM294 в виде суспензии в 30 мМ CaCl₂ при 4° наблюдалось значительное снижение уровня компетентности (за 1 сут – на 70%, за 3–10 сут – на 95%), но даже клетки с возрастом более 10–14 сут оставались пригодными для многих экспериментов.

CONSTRUCTION OF THE HYBRID PLASMIDS CONTAINING TWO *ColE1*
REPLICONS

BERLIN Yu. A., LEBEDENKO E. N., SHPAKOVSKII G. V.,
KOROTKOV K. O.

*M. M. Shemyakin Institute of Bioorganic Chemistry,
Academy of Sciences of the USSR, Moscow*

Hybrid plasmids pBR322/*Eco RI* – CKΔ11/*Eco RI* (*Ap^rTc^rKm^r*) (pLCG1) and pBR322/*Hind III*–CKΔ11/*Hind III* (*Ap^rTc^sKm^r*) (pLCG2) have been constructed by *in vitro* recombination of the corresponding derivatives of the colicinogenic factor *ColE1*. Orientation of the pBR322 and CKΔ11 fragments in the pLCG1 molecule is determined by restriction analysis. The results obtained show that *Eco RI* does not affect the regions specifying antibiotic resistance in both original plasmids, whereas *Hind III* — insertions inactivate the *Tc^r* determinant in pBR322. The pLCG1 plasmid can be used as a cloning vehicle (at the *Bam HI* site), the selection of recombinants being based on *Ap^rTc^rKm^r → Ap^rTc^sKm^r* phenotypic change.
