



БИООРГАНИЧЕСКАЯ ХИМИЯ

том 4 * № 10 * 1978

УДК 547.915.5:543.51

ХАРАКТЕРИСТИКА МОЛЕКУЛЯРНЫХ ВИДОВ ПРИРОДНЫХ ЛИПИДОВ ПО МАСС-СПЕКТРАМ МЕТАСТАБИЛЬНЫХ ИОНОВ

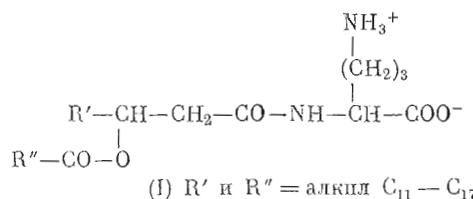
III *. МИКРОБНЫЕ БЕСФОСФОРНЫЕ ЛИПОАМИНОКИСЛОТЫ
(ОРНИТИНОЛИПИДЫ)

*Батраков С. Г., Садовская В. Л., Розынов Б. В.,
Бергельсон Л. Д.*

*Институт биоорганической химии им. М. М. Шемякина
Академии наук СССР, Москва*

Описанный в предыдущих сообщениях масс-спектрометрический метод, основанный на исследовании распада метастабильных ионов в бесполевых областях двухфокусного масс-спектрометра, использован для определения молекулярно-видового состава микробных бесфосфорных липоаминокислот (орнитинолипидов). Определение осуществлено при помощи метастабильной дефокусировки и прямого анализа дочерних ионов.

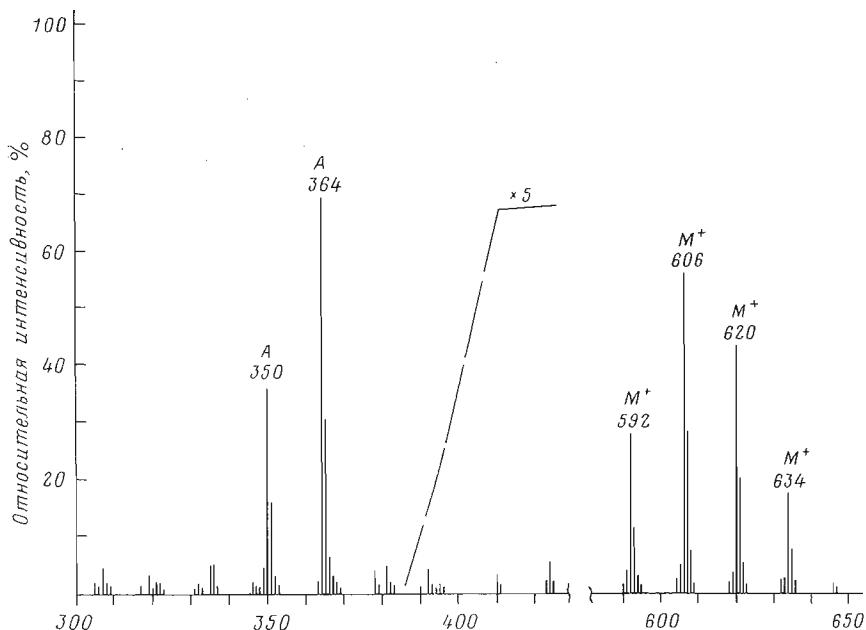
Микробные бесфосфорные липоаминокислоты общей структуры (I),



так называемые орнитинолипиды, открыты сравнительно недавно [2], но, как показали исследования последних лет, они широко распространены среди микроорганизмов [3]. Установлено, что липиды этого класса являются компонентами клеточных мембран и синтезируются в качестве функциональных аналогов мембранныго фосфатидилэтаноламина при дефиците фосфата в окружающей среде [3—5].

В предыдущих сообщениях [4, 6] нами был описан масс-спектрометрический метод анализа молекулярно-видового состава природных триглицеридов и глицерофосфолипидов, не требующий предварительного разделения липидных фракций на компоненты. Метод основан на выявлении в масс-спектре фракции индивидуального пути фрагментации молекулярного иона каждого из ее компонентов. Последнее достигалось в результате изучения распада метастабильных ионов в бесполевых областях двухфокусного масс-спектрометра при помощи метастабильной дефокусировки (MD) и прямого анализа дочерних ионов (DADI). В настоящем сообщении

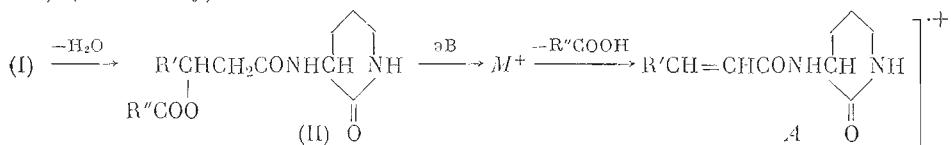
* Сообщение II см. [1].



Фрагмент масс-спектра орнитинолипида (I) из *Act. aureoverticillus* 1306 (70 эВ); максимальным в масс-спектре является пик иона с m/e 113

описывается применение этого метода для определения молекулярно-видового состава орнитиполипидов (I).

В качестве объекта исследования мы избрали фракцию липоаминокислот (I), выделенную из суммарных липидов актиномицета *Actinomyces aureoverticillus* 1306 [7]. Как можно видеть из формулы (I), в состав молекулы орнитинолипида входят жирные кислоты двух типов (см. также табл. 1): 3-оксикислоты, связанные амидной связью с остатком орнитина, и негидроксилированные кислоты, присоединенные сложноэфирной связью к гидроксильной группе остатка 3-оксикислоты. В ионном источнике масс-спектрометра орнитинолипиды (I) подобно другим 2-N-производным орнитина [8] подвергаются дегидратации с образованием лактамов (II) (см. схему).



Пики молекулярных ионов гомологичных лактамов (II) имеют значительную интенсивность в масс-спектрах орнитинолипидных фракций [5, 7, 9]. Одно из направлений распада указанных молекулярных ионов состоит в элиминировании молекулы негидроксилированной жирной кислоты ($R''COOH$) и образовании иона A . Методами MD и DADI мы установили, что эта реакция протекает под действием электронного удара, а не является пиролитической деградацией, характерной для производных 3-ацилоксикислот. Из приведенной схемы видно, что для определения молекулярно-видового состава фракции достаточно идентифицировать ион-предшественник каждого имеющегося в масс-спектре фрагмента A .

Масс-спектр орнитинолипида из *Act. aureoverticillus* 1306 (см. рисунок) содержит пики четырех молекулярных ионов гомологичных лактамов (II) с m/e 592, 606, 620 и 634. Ионам типа A соответствуют два пика — при m/e 350 и 364. Отсюда можно заключить, что в состав липидной фракции входят компоненты с остатками 3-оксикислот $C_{16:0}$ и $C_{17:0}$. Методом DADI

Таблица 1

**Жирнокислотный состав орнитинолипида
из *Act. aureoverticillus* 1306 [7]**

Жирные кислоты	Относительное содержание, %	
	Негидроксилированные кислоты	3-Оксикислоты
C _{15:0}	40,8	—
C _{16:0}	36,0	34,6
C _{16:1}	2,8	—
C _{17:0}	20,4	65,4

Таблица 2

**Данные спектров DADI и молекулярно-видовой состав
фракции орнитинолипида из *Act. aureoverticillus* 1306**

Ион-предшественник (M^+), m/e	Дочерние ионы (A), m/e измеренное	Жирнокислотный состав компонентов фракции
592	349,8	3-окси-C _{16:0} , C _{15:0}
606	351,6	3-окси-C _{16:0} , C _{16:0}
	363,2	3-окси-C _{17:0} , C _{15:0}
620	349,0	3-окси-C _{16:0} , C _{17:0}
	362,7	3-окси-C _{17:0} , C _{16:0}
634	363,5	3-окси-C _{17:0} , C _{17:0}

Таблица 3

**Данные спектров MD и молекулярно-видовой состав
фракции орнитинолипида из *Act. aureoverticillus* 1306**

Дочерний ион (A), m/e	Ионы-предшественники (M^+), m/e измеренное	Жирнокислотный состав компонентов фракции
350	590,9	3-окси-C _{16:0} , C _{15:0}
	604,9	3-окси-C _{16:0} , C _{16:0}
364	604,4	3-окси-C _{17:0} , C _{15:0}
	617,9	3-окси-C _{17:0} , C _{16:0}
	629,1	3-окси-C _{17:0} , C _{17:0}

найдено, что молекулярные ионы с m/e 592 и 634 дают при распаде по одному фрагменту A — с m/e 350 и 364 соответственно, тогда как из молекулярных ионов с m/e 606 и 620 образуются оба указанных фрагмента A (табл. 2). Эти данные подтверждаются спектрами MD ионов A (табл. 3). Следовательно, орнитинолипидная фракция из *Act. aureoverticillus* 1306 содержит 6 компонентов с жирнокислотным составом: 3-окси-C_{16:0}, C_{15:0}; 3-окси-C_{16:0}, C_{16:0}; 3-окси-C_{16:0}, C_{17:0}; 3-окси-C_{17:0}, C_{15:0}; 3-окси-C_{17:0}, C_{16:0} и 3-окси-C_{17:0}, C_{17:0}. О количественном соотношении компонентов, очевидно, можно судить по относительной интенсивности пиков молекулярных ионов соответствующих гомологичных лактамов (II) (см. рисунок), поскольку различия между гомологами по молекулярному весу, а следовательно, и по летучести незначительны. В том случае, когда одному пику в масс-спектре отвечают два изомерных молекулярных иона (m/e 606 и 620), количественное соотношение между изомерами может быть

определен по соотношению интенсивностей пиков ионов A в спектре DADI. Рассчитанное таким образом относительное содержание вышеперечисленных молекулярных видов в липоаминокислотной фракции составляет соответственно 17,3; 12,3; 11,4; 31,8; 16,2 и 11,0 %.

В совокупности с ранее полученными данными [1,6] результаты настоящей работы показывают, что предложенный нами масс-спектрометрический метод определения молекулярно-видового состава применим не только к триглицеридам и глицерофосфатидам, но и к другим классам липидов.

Применявшиеся в настоящей работе приборы и методы описаны в сообщении [6]; испарение образцов орнитинолицида осуществляли при 160—170°.

ЛИТЕРАТУРА

1. Батраков С. Г., Садовская В. Л., Галляшин В. Н., Розынов Б. В., Бергельсон Л. Д. (1978) Биоорган. химия, 4, 1390—1397.
2. Lanéelle M.-A., Lenéelle G., Asselineau J. (1963) Biochim. et biophys. acta, 70, 99—102.
3. Batrakov S. G., Bergelson L. D. (1978) Chem. and Phys. Lipids, 21, 501—527.
4. Minnikin D. E., Abdolrahimzadeh H. (1974) FEBS Lett., 43, 257—260.
5. Батраков С. Г., Конова И. В., Касымбекова С. К., Бергельсон Л. Д. (1977) Биоорган. химия, 3, 1041—1047.
6. Батраков С. Г., Садовская В. Л., Галляшин В. Н., Розынов Б. В., Бергельсон Л. Д. (1978) Биоорган. химия, 4, 1220—1231.
7. Батраков С. Г., Придачина Н. Н., Кругляк Е. Б., Мартикова А. В., Бергельсон Л. Д. (1977) Биоорган. химия, 3, 920—929.
8. Clarke D. R., Waight E. S. (1971) J. Chem. Soc. (C), 3743—3748.
9. Батраков С. Г., Шуб М. М., Розынов Б. В., Бергельсон Л. Д. (1974) Химия природных соед., 3—10.

Поступила в редакцию
27.III.1978

MOLECULAR SPECIES CHARACTERIZATION OF NATURAL LIPIDS BY METASTABLE ION MASS SPECTRA. III. MICROBIAL PHOSPHORUS-FREE LIPOAMINOACIDS (ORNITHINOLIPIDS)

BATRAKOV S. G., SADOVSKAYA V. L., ROSYNOV B. V., BERGELSON L. D.

M. M. Shemyakin Institute of Bioorganic Chemistry, Academy
of Sciences of the USSR, Moscow

The mass spectrometric method previously developed for molecular species analysis of natural glycerophospholipids is applied to molecular species determination of microbial phosphorus-free lipoaminoacids (ornithinolipids). The analytical procedure is based on examination of metastable transitions in the field-free regions of a double-focusing mass spectrometer by techniques of metastable defocusing and direct analysis of daughter ions.