



УДК 577.112.853.083:543.422.25

УДОБНЫЙ МЕТОД ПОЛУЧЕНИЯ ИНДИВИДУАЛЬНЫХ ОЛИГОСАХАРИДНЫХ ФРАГМЕНТОВ N-ГЛИКОПРОТЕИНОВ ИЗ ФАЗЕОЛИНА – ГЛАВНОГО РЕЗЕРВНОГО БЕЛКА ФАСОЛИ

© 1995 г. Н. П. Арбатский*, Л. М. Лихошерстов, И. В. Калякина,
А. О. Желтова, В. Н. Шибаев

Институт органической химии им. Н.Д. Зелинского РАН, 117913, Москва, Ленинский просп., 47

Поступила в редакцию 11.01.95 г.

Разработан препаративный метод выделения N-связанных олигосахаридных фрагментов из фазеолина – главного резервного белка фасоли *Phaseolus vulgaris*. В результате расщепления фазеолина действием LiBH₄ или NaBH₄-BaCl₂ в водном Bu'OH, последующего восстановления NaBH₄ и ВЭЖХ получены индивидуальные олигосахаридальдитолы Man₅₋₉GlcNAc₁GlcNAc-ol и Man_{3(Xyl)GlcNAc₁GlcNAc-ol}. Главные углеводные цепи фазеолина – Man₉GlcNAc₂, Man₇GlcNAc₂ и Man_{3(Xyl)GlcNAc₂} – получены также в невосстановленном виде с помощью последовательной анинообменной хроматографии и ВЭЖХ. Олигосахариды идентифицированы по поведению при хроматографии и данным моносахаридного состава, их структура подтверждена спектрами ¹H-ЯМР.

Ключевые слова: фазеолин, фасоль *Phaseolus vulgaris*, олигосахариды, выделение.

В связи с неослабевающим интересом к изучению структуры и функции углеводных цепей гликопротеинов возникает потребность в индивидуальных недеградированных олигосахаридных фрагментах гликопротеинов. Они могут быть использованы в качестве стандартных соединений для хроматографической идентификации углеводных цепей гликопротеинов, а также (после модификации) для получения неогликоконъюгатов путем "пришивки" их к природным белкам или синтетическим полимерам. Для целей идентификации чаще всего используют восстановленные (в том числе ³H-меченные) олигосахариды [1] или их флуоресцентные 2-амиnopиридиновые производные [2], а для получения неогликоконъюгатов необходимо иметь олигосахариды со свободным восстанавливающим концом.

Наиболее целесообразно получать олигосахариды в препаративном масштабе, выделяя их после избирательной деградации химическими методами относительно доступных природных гликопротеинов. В качестве таковых могут служить гликопротеины семян бобовых, в частности фазеолин – главный резервный белок фасоли. Фазеолин – это семейство гомологичных белков (двух или более) с *M* 45 - 50 кДа, содержащих одну или две Asn-связанные углеводные цепи [3]. Углеводные фрагменты фазеолина представляют собой обычные для белков растений и животных олиго-

маннозидные цепи, а также характерные только для гликопротеинов растений олигосахариды, содержащие ксилозу [3 - 5]. Таким образом, фазеолин можно рассматривать как очень удобный источник для получения олигосахаридов указанных выше типов.

В настоящей работе описан препаративный метод выделения из фазеолина семян белой фасоли *Phaseolus vulgaris* его недеградированных углеводных фрагментов в виде восстановленных и восстанавливающих олигосахаридов.

Фазеолин выделяли по модифицированному нами методу [6], включающему экстракцию фасоловой муки раствором NaCl, центрифugирование и диализ супернатанта против воды. Выбранные оптимальные условия (4°C, продолжительность экстракции 40 мин) соответствовали достаточно полному извлечению фазеолина при минимальной экстракции других углеводсодержащих соединений. При диализе экстракта нерастворимый в деионизованной воде фазеолин выпадает в осадок, который отделяли центрифугированием. После повторного растворения в солевом растворе и осаждения при диализе полученный с выходом ~4% фазеолин при электрофорезе в ПААГ в присутствии SDS давал четыре полосы в районе 42 - 50 кДа, что согласуется с литературными данными [3].

Олигосахаридные фрагменты фазеолина отщепляли с помощью разработанных нами ранее методов – обработкой LiBH₄ или NaBH₄-BaCl₂ в

*Автор для переписки.

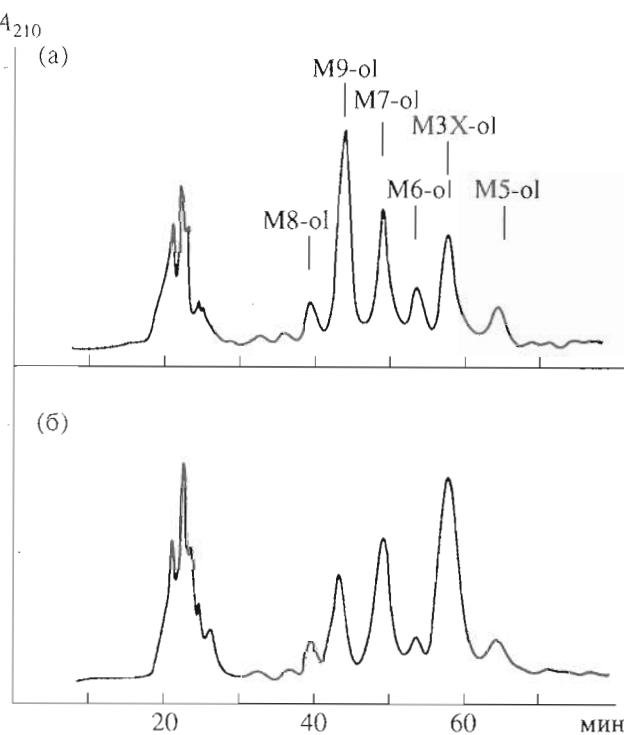
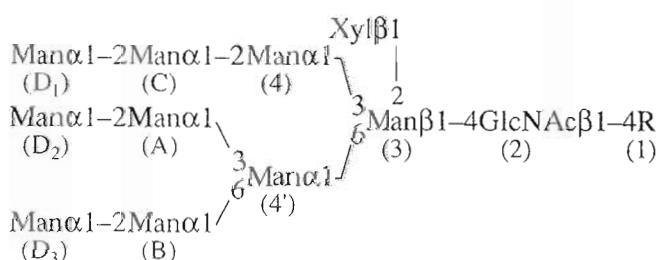


Рис. 1. ВЭЖХ суммарной смеси олигосахаридальдитолов, полученных из различных партий фасоли (а, б) на колонке (1×25 см) Ultrasphere C18 в воде (0.4 мл/мин). Шифры олигосахаридов соответствуют приведенным на схеме.

водном $\text{Bu}'\text{OH}$ [7, 8]. Последний метод применялся при деградации большого количества исходного гликопroteина (1 - 10 г) как более экономичный и безопасный. После обессоливания реакционной смеси и разделения олигосахаридов и гликопептидов на катионные получали смесь восстанов-



Шифр олигосахарида	R	Отсутствует остаток
M9-ol	GlcNAc-ol	Xyl
M9	GlcNAc	Xyl
M8-ol	GlcNAc-ol	Xyl, D ₂
M7-ol	GlcNAc-ol	Xyl, D ₂ , D ₃
M7	GlcNAc	Xyl, D ₂ , D ₃
M6-ol	GlcNAc-ol	Xyl, D ₂ , D ₃ , D ₁
M5-ol	GlcNAc-ol	Xyl, D ₂ , D ₃ , D ₁ , C
M3X-ol	GlcNAc-ol	D ₂ , D ₃ , D ₁ , C, A, B

Схема.

ливающих олигосахаридов, содержащую небольшое количество (5 - 10%) олигосахаридальдитолов. Часть материала восстанавливали NaBH_4 и смесь олигосахаридальдитолов разделяли ВЭЖХ на колонке Ultrasphere C18 в воде (рис. 1а). Для хроматографической идентификации использовали олигоманнозидные фрагменты, полученные ранее из гемагглютинина вируса гриппа [9], а количество моносахаридных остатков рассчитывали из результатов анализа кислотного гидролизата выделенных олигосахаридов. Как и ожидалось исходя из литературных данных [3], главными компонентами смеси оказались олигосахариды, содержащие в расчете на восстановленное хитобиозное звено 9 и 7 остатков Man (M9-ol и M7-ol), а также олигосахарид, содержащий 3 остатка Man и 1 остаток Xyl (M3X-ol). Минорные компоненты соответствовали олигоманнозидным цепям с 8, 6 и 5 остатками Man (M8-ol, M6-ol и M5-ol, рис. 1а, схема).

Следует отметить, что количественные соотношения олигосахаридов значительно изменялись в зависимости от партии фасоли, хотя главными во всех случаях оставались олигосахариды M9-ol, M7-ol и M3X-ol (рис. 1б).

Структура полученных олигосахаридов (см. схему) следовала из данных ^1H -ЯМР-спектров (таблица). В спектре каждого олигосахарида имелись два сигнала протонов NAc-групп остатков GlcNAc и GlcNAc-ol (при 2.05 - 2.07 м. д.) и соответствующее число сигналов аномерных протонов остатков GlcNAc и Man, а для олигосахарида M3X-ol наблюдался характерный сигнал H1 остатка β -Xyl [3, 10]. Значения химических сдвигов H1 остатков Man и GlcNAc для олигосахаридальдитола M9-ol довольно хорошо совпадают с данными работы [10] для соответствующего олигосахарида. Небольшие отклонения объясняются, по-видимому, различием в температурном режиме при снятии спектров (70 и 27°C) и различиями в структуре восстанавливющего конца углеводной цепи. Учитывая тот факт, что во всех без исключения случаях выделения из гликопротеинов животных и растений восстанавливающего олигосахарида с 9 остатками Man он имел структуру, приведенную на схеме, структура полученного нами олигосахаридальдитола M9-ol не вызывает сомнения.

Несколько сложнее установить по спектру структуру олигосахаридов, содержащих от 5 до 8 остатков Man, так как для каждого из них возможны изомерные структуры, различающиеся положением концевых остатков Man. Однако решение этой задачи облегчается тем, что, во-первых, химические сдвиги сигналов H1 остатков маннозы A, B и C (см. таблицу) в M9-ol достоверно различаются (~5.4, 5.1 и 5.3 м. д. соответственно), а, во-вторых, при отсутствии какого-либо из

Химические сдвиги аномерных протонов в ^1H -ЯМР-спектрах олигосахаридальдитолов (δ , м. д.)*

Моносахарид- ный остаток**	D ₁ -C-4 D ₂ -A D ₃ -B		D ₁ -C-4 A D ₃ -B		D ₁ -C-4 A B		C-4 A B		A B		Xyl	
	3-2-1 4'-> M9-ol		3-2-1 4'-> M8-ol		3-2-1 4'-> M7-ol		3-2-1 4'-> M6-ol		3-2-1 4'-> M5-ol		4'-> M3X-ol	
	эксп.	лит.	эксп.	лит.	эксп.	лит.	эксп.	лит.	эксп.	лит.	эксп.	лит.***
2	4.665	4.610	4.659	4.621	4.665	4.621	4.669	4.621	4.664	4.606	4.648	4.634
3	4.783	4.77	4.775	4.78	4.781	4.78	4.785	4.78	4.788	4.781	4.853	4.883
4	5.330	5.334	5.331	5.336	5.337	5.336	5.351	5.345	5.124	5.099	5.123	5.122
4'	4.883	4.869	4.877	4.869	4.884	4.869	4.888	4.869	4.880	4.872	4.904	4.913
A	5.384	5.404	5.110	5.090	5.118	5.090	5.121	5.090	5.113	5.093	—	—
B	5.127	5.143	5.125	5.145	4.922	4.908	4.925	4.908	4.918	4.908	—	—
C	5.297	5.308	5.289	5.304	5.292	5.304	5.072	5.052	—	—	—	—
D ₁	5.072	5.049	5.058	5.044	5.062	5.044	—	—	—	—	—	—
D ₂	5.081	5.061	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—
D ₃	5.063	5.042	5.058	5.044	—	—	—	—	—	—	—	—
Xyl	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	4.462	4.449

* Для сравнения приведены литературные данные (лит.) для соответствующих восстанавливющих олигосахаридов, полученных в составе гликопептидов [10]; спектры сняты при 27°C.

** См. схему.

*** Приведены данные работы [4] для аналогичного олигосахаридальдитола; спектр снят при 27°C.

концевых остатков Man (D₁, D₂ или D₃) сигнал H1 остатка Man (A, B или C), к которому он был присоединен, сдвигается на 0.2 - 0.3 м. д. в сильное поле [10]. Руководствуясь этим правилом, легко установить, какому из изомеров соответствует выделенный нами олигосахарид. Так, в области аномерных протонов в спектре олигосахарида M8-ol по сравнению с M9-ol имеются только два сигнала при ~5.06 м. д., характерных для H1 остатков D, отсутствует сигнал замещенного остатка A (~5.4 м. д.) и появляется сигнал при ~5.1 м. д. Из этого однозначно следует, что олигосахарид M8-ol отличается от M9-ol отсутствием остатка маннозы D₂.

Аналогичным путем установлена структура и других олигосахаридов (см. схему). Таким образом, кроме идентичных выделенным ранее в виде гликопептидов [3] углеводных фрагментов фазеолина (M9, M7 и M3X) нами получены также M8, M6 и M5. Как главные, так и минорные олигосахариды имеют структуру, типичную для многих N-гликопротеинов растений и животных [5, 10 - 12].

С точки зрения практического использования больший интерес представляют восстанавливющие олигосахариды, открытый гликозидный центр которых позволяет проводить различные модификации. Однако выделение индивидуальных восстанавливющих олигосахаридов – гораздо более сложная задача, поскольку олигосахариды каждого типа при описанном методе деградации гликопротеинов получаются в трех формах: в ви-

де α - и β -аномеров и частично в виде восстановленных олигосахаридов. По этой причине разделить исходную смесь олигосахаридов с помощью ВЭЖХ, как это описано для восстановленных олигосахаридов [1, 9], оказалось крайне затруднительным.

Ранее для разделения сложных смесей олигосахаридов нами с успехом применялась анионообменная хроматография в боратном буфере [13]. Этот метод оказался весьма эффективным и для фракционирования суммарной олигосахаридной фракции фазеолина (рис. 2). Анализ методом

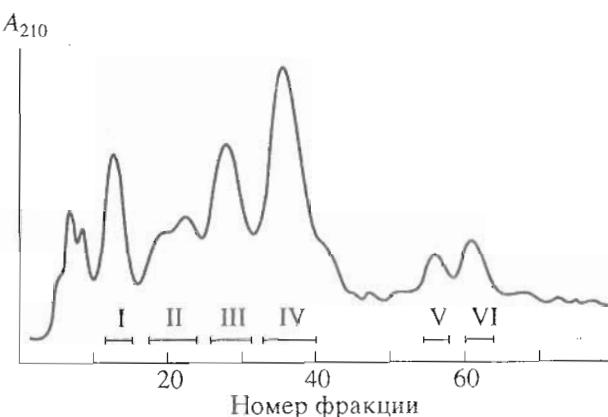


Рис. 2. Анионообменная хроматография суммарной олигосахаридной фракции фазеолина на колонке (0.8 × 53 см) с анионитом DAx4 в 0.5 М боратном буфере, pH 8 (0.6 мл/мин). Объем фракции 3 мл.

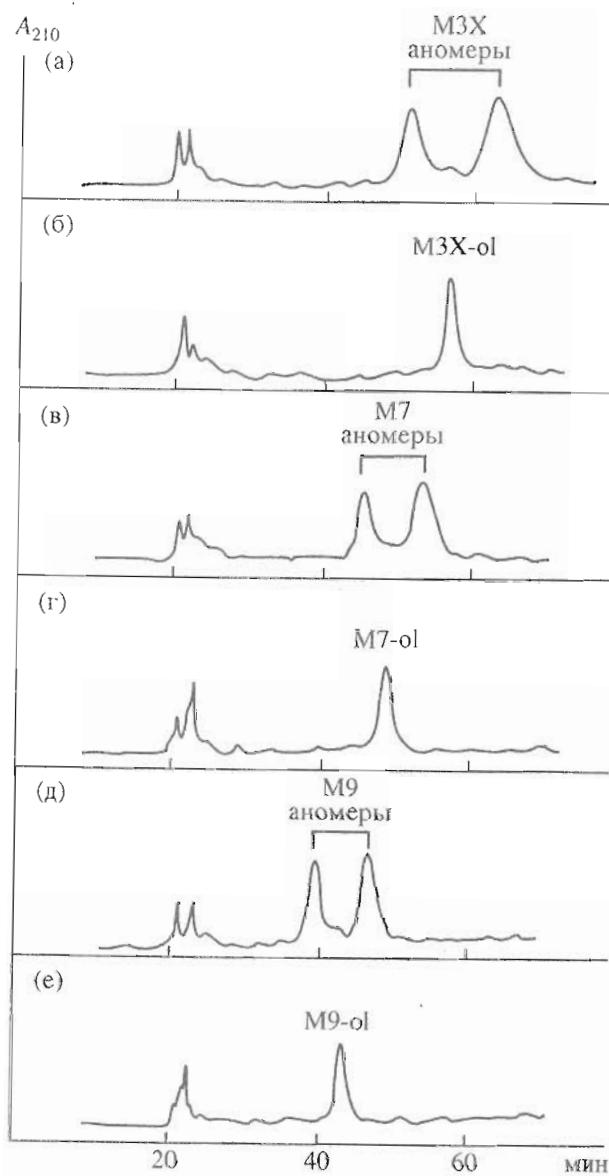


Рис. 3. ВЭЖХ на колонке Ultrasphere C18 фракций I (а, б), III (в, г) и IV (д, е), полученных при анионообменной хроматографии (рис. 2), до восстановления (а, в, д) и после восстановления NaBH_4 (б, г, е).

ВЭЖХ полученных после анионообменной хроматографии фракций (I - VI) до и после восстановления их NaBH_4 позволил отнести каждый из пиков к определенному олигосахариду. Так, фракция I содержала в основном восстанавливающий олигосахарид M3X, поскольку до обработки NaBH_4 она выходит в виде двух пиков, соответствующих двум аномерам олигосахарида (рис. 3а), а после обработки – в виде одного пика (рис. 3б), точно совпадающего по времени элюции с восстановленным олигосахаридом M3X-ol (ср. рис. 1). Аналогичным образом установлено, что основными компонентами фракций III и IV являются восстанавливающие олигосахариды M7 и M9

(рис. 3в, д), а фракция II содержит смесь минорных олигосахаридов M5 и M6. Фракции V и VI, элюируемые после восстанавливающих олигосахаридов, содержали восстановленные олигосахариды M7-ol и M9-ol, так как и без обработки NaBH_4 каждая из них давала при ВЭЖХ один пик, соответствующий стандартному восстановленному олигосахариду.

Таким образом, применение на первой стадии анионообменной хроматографии позволяет разделить большинство восстанавливающих олигосахаридов и полностью отделить восстановленные олигосахариды. В результате последующей очистки с помощью оффВЭЖХ (см. рис. 3а, в, д) получены индивидуальные восстанавливающие олигосахариды M3X, M7 и M9.

Учитывая доступность исходного материала и простоту выделения фазеолина, с помощью описанных методов можно получать в достаточно большом количестве (десятки миллиграммов) олигоманнозидные и Xyl-содержащие олигосахариды как в восстановленном, так и в невосстановленном виде. Полученные олигосахариды могут быть использованы как стандарты при структурном анализе гликопротеинов, лиганды для лектинов, субстраты для соответствующих гликозидаз и гликозилтрансфераз, исходные соединения для синтеза неогликоконъюгатов.

ЭКСПЕРИМЕНТАЛЬНАЯ ЧАСТЬ

Моносахаридный состав олигосахаридов определяли на анализаторе Biotronik LC 2000 (ФРГ) после гидролиза 2 М CF_3COOH (121°C , 2 ч). Электрофорез проводили в 7.5% полиакриламидном геле в присутствии 0.2% SDS. Белок проявляли кумасси бриллиантовым голубым P-250. Спектры $^1\text{H-ЯМР}$ сняты в D_2O на приборе Bruker WH-250 при 70°C в условиях подавления сигнала HDO .

Выделение фазеолина. Суспензию 112 г муки белой фасоли *P. vulgaris* в 400 мл 10% раствора NaCl перемешивали 40 мин при 4°C на магнитной мешалке, центрифугировали при $\sim 4^\circ\text{C}$ и супернатант диализовали ($\sim 4^\circ\text{C}$, 4 сут) против дистиллированной воды. Выпавший осадок отделяли центрифугированием, снова растворяли в 150 мл 10% NaCl , центрифугировали и супернатант диализовали как описано выше. Осадок промывали ацетоном, высушивали в вакуумном экскаторе и получали 4.1 г (3.7%) фазеолина.

Отщепление углеводных цепей фазеолина проводили 1 М LiBH_4 [7] или 1 М NaBH_4 в присутствии BaCl_2 [8] в водном $\text{Bu}'\text{OH}$. Выход суммарной олигосахаридной фракции колебался в различных опытах от 1.5 до 2% от количества взятого фазеолина.

Восстановление олигосахаридов. 60 мг суммарной олигосахаридной фракции растворяли в

1 мл воды, прибавляли 2 мл 0.1 н. раствора NaOH и ~70 мг NaBH₄, смесь выдерживали 16 ч при 20°C и оставшийся NaBH₄ разлагали разбавленной AcOH. К раствору прибавляли 15 мл дауэкса 50W×8 (H⁺), перемешивали 20 мин, смолу отфильтровывали, фильтрат и промывные воды упаривали, остаток упаривали с метанолом (5 × 3 мл) и получали 55 мг смеси олигосахаридальдитолов.

Хроматография олигосахаридов. ВЭЖХ олигосахаридов проводили на хроматографе Bio-Rad (США); колонка (1 × 25 см) Ultrasphere C18 (Beckman, США), скорость элюента (вода, бидистиллят) 0.4 мл/мин, УФ-детекция при 210 нм. При выполнении preparативной хроматографии за один прием разделяли до 3 мг смеси олигосахаридов, для аналитической хроматографии требуется 1 - 5 мкг олигосахарида.

Анионообменную хроматографию выполняли на колонке (0.8 × 53 см) с анионитом DAx4 (Durrum, США) в 0.5 М боратном буфере, pH 8 (0.6 мл/мин), УФ-детекция при 210 нм. За один прием разделяли ~10 мг смеси олигосахаридов. Фракции (3 мл) объединяли так, как показано на рис. 2, деионизовали с помощью катионита и упаривали с метанолом.

Работа выполнена при частичной финансовой поддержке фонда Государственной научно-технической программы России "Новейшие методы биоинженерии" (направление "Генная и клеточная инженерия") и Российского фонда фундаментальных исследований (проект № 94-03-08569).

СПИСОК ЛИТЕРАТУРЫ

1. Arbatsky N.P., Martynova M.D., Zheltova A.O., Derevitskaya V.A., Kochetkov N.K. // Carbohydr. Res. 1989. V. 187. P. 165 - 171.
2. Tomija N., Kurono M., Ishihara H., Tejima S., Endo S., Arata A., Takahashi N. // Anal. Biochem. 1987. V. 163. P. 489 - 493.
3. Sturm A., van Kuik J.A., Vliegenthart J.F.G., Chrispeels M.T. // J. Biol. Chem. 1987. V. 262. P. 13392 - 13403.
4. Van Kuik J.A., van Halbeek H., Kamerling J.P., Vliegenthart J.F.G. // J. Biol. Chem. 1985. V. 260. P. 13984 - 13988.
5. Ashford D.A., Dwek R.A., Rademacher T.W., Lis H., Sharon N. // Carbohydr. Res. 1991. V. 213. P. 215 - 227.
6. Кремович В.Л., Евстигнеева З.Г., Асеева К.Б. // Биохимия. 1960. Т. 25. Вып. 5. С. 878 - 883.
7. Likhoshsterov L.M., Novikova O.S., Piskarev V.E., Trusikhina E.E., Derevitskaya V.A., Kochetkov N.K. // Carbohydr. Res. 1988. V. 178. P. 155 - 163.
8. Лихоштерсов Л.М., Новикова О.С., Деревицкая В.А., Кочетков Н.К. // Биоорган. химия. 1990. Т. 16. С. 1386 - 1392.
9. Арбатский Н.П., Шашков А.С., Желтова А.О., Юртов Д.В., Деревицкая В.А., Кочетков Н.К. // Биоорган. химия. 1985. Т. 11. С. 1556 - 1561.
10. Vliegenthart J.F.G., Dorland L., van Halbeek H. // Advances in Carbohydrate Chemistry and Biochemistry. V. 41 / Eds R.S. Tipson, D. Horton. N.Y. - L: Acad. Press, 1983. P. 209 - 374.
11. Yamaguchi H., Funakoshi H., Iwamoto H. // J. Biochem. 1992. V. 111. P. 388 - 395.
12. Kornfeld R., Kornfeld S. // Ann. Rev. Biochem. 1985. V. 54. P. 631 - 664.
13. Derevitskaya V.A., Arbatsky N.P., Kochetkov N.K. // Eur. J. Biochem. 1978. V. 86. P. 423 - 437.

A Convenient Method for Preparation of Individual Oligosaccharide Fragments of *N*-Glycoproteins from Common Beans Major Storage Protein Phaseolin

N. P. Arbatskii*, L. M. Likhoshsterov, I. V. Kalyakina,
A. O. Zheltova, and V. N. Shibaev

Zelinskii Institute of Organic Chemistry, Russian Academy of Sciences,
Leninskii pr. 47, Moscow, 117913 Russia

Abstract -- A preparative method for isolation of *N*-linked oligosaccharides, fragments of phaseolin, which is a major storage protein of common beans (*Phaseolus vulgaris*), was developed. Individual oligosaccharide-alditols Man₅₋₉GlcNAc₁GlcNAc-ol and Man₃(Xyl)GlcNAc₁GlcNAc-ol were obtained after phaseolin degradation with LiBH₄ or NaBH₄-BaCl₂ in aqueous *tert*-BuOH, the subsequent reduction with NaBH₄, and HPLC. The main carbohydrate chain fragments of phaseolin [Man₉GlcNAc₂, Man₇GlcNAc₂, and Man₃(Xyl)GlcNAc₂] were also obtained in an unreduced form by successive use of ion-exchange chromatography and HPLC. The oligosaccharides were identified by means of their chromatographic behavior and monosaccharide composition data, and their structures were confirmed by ¹H NMR.

Key words: phaseolin, *Phaseolus vulgaris* common beans, oligosaccharides, isolation.

* To whom correspondence should be addressed.