



БИООРГАНИЧЕСКАЯ ХИМИЯ

том 2 * № 1 * 1976

УДК 547.962:541.6

ТЕОРЕТИЧЕСКИЙ КОНФОРМАЦИОННЫЙ АНАЛИЗ АНТАМАНИДА.

II. СТРУКТУРЫ С ВНУТРИМОЛЕКУЛЯРНЫМИ ВОДОРОДНЫМИ СВЯЗЯМИ

Громов Э. П., Плетнев В. З., Попов Е. М.

*Институт биоорганической химии им. М. М. Шемякина
Академии наук СССР, Москва*

Исследовано пространственное строение циклодекапептида антаманида, проявляющего ингибиторные свойства по отношению к некоторым токсинам. Расчет оптимальных конформаций выполнен путем минимизации потенциальной энергии при вариации двухугранных углов вращения и при учете вкладов от невалентных и электростатических взаимодействий, водородных связей и заторможенного вращения. Анализ привел к трем низкоэнергетическим структурам антаманида с шестью водородными связями, *цис*- и *транс*-конфигурациями третичноамильных групп. Результаты расчета составлены с экспериментальными данными. Показано, что энергия перехода наиболее предпочтительной в нейтральной среде конформации молекулы в комплексную форму меньше энергии ион-дипольного взаимодействия.

В предыдущем сообщении [1] была описана схема расчета стабильных конформаций циклического декапептида антаманида с различными системами внутримолекулярных водородных связей (рисунок). Предложенная схема включает ряд последовательно решаемых стадий.

1. Расчет оптимальных форм фрагментов (I) — (III)



2. Расчет конформаций циклического аналога антаманида

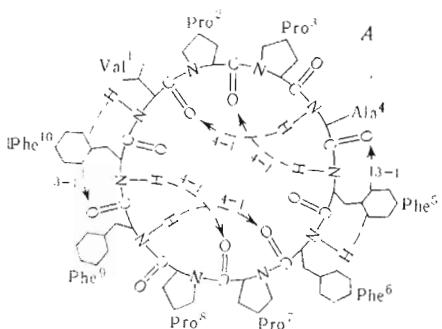
$\left[-(\text{Ala-Pro-Pro-Ala-Ala})_2 \right]$, составленных из оптимальных форм фрагментов (I) — (III), обеспечивающих достаточную сближенность концевых групп ($\sim 10 \text{ \AA}$) и образование внутримолекулярных водородных связей.

3. Конформационный анализ фрагментов (IV) — (VII) и нахождение ориентаций боковых цепей остатков антаманида.

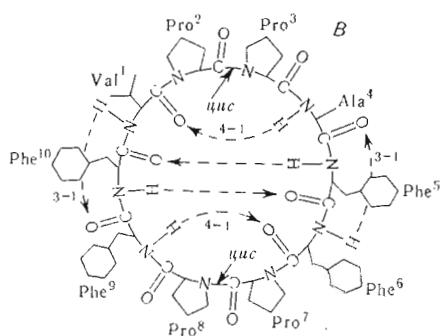
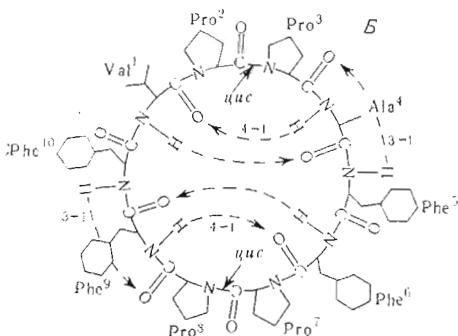


4. Сборка полной структуры антаманида.

В работе [1] были обсуждены результаты расчета оптимальных форм фрагментов (I) — (III) с возможными в антаманиде системами водородных связей *A*, *B* и *C* (рисунок). Было показано, что система *A* реализуется

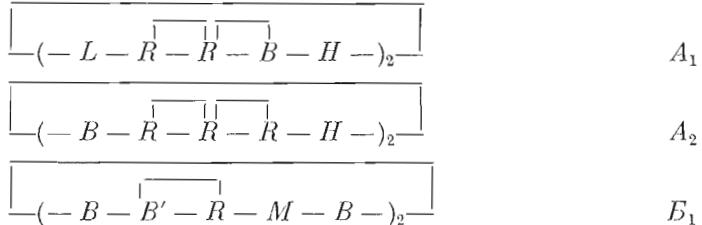


Системы внутримолекулярных водородных связей в конформациях антаманида *A*, *B* и *C* с *транс*- и *цикло*-конфигурациями третичноамидных групп между остатками пролина



при *транс*-конфигурации всех пептидных связей, системы *B* и *C* — при *цикло*-конфигурации третичноамидной связи между остатками пролина. Были предложены 14 из 48 комбинаций форм фрагментов (I) — (III), которые в наибольшей степени удовлетворяют условию замыкания цикла и образованию внутримолекулярных водородных связей (табл. 1).

Выделенные комбинации явились исходными для поиска оптимальных конформаций пептидного скелета антаманида. Минимизация энергий при вариации углов вращения вокруг связей C^{α} —N(ϕ), C^{α} —C'(ψ) и N—C'(ω) привела к следующим трем наиболее низкоэнергетическим структурам модельного циклодекапептида:



Расчетные конформационные параметры и величины энергий для *A*₁, *A*₂ и *B*₁ приведены в табл. 2. Глобальной формой пептидного скелета является *A*₁, далее с небольшим различием в энергии следуют *B*₁ и *A*₂. Отклонения углов φ, ψ в замкнутой цепи от значений в оптимальных формах соответствующих линейных фрагментов (I) — (III) не превышают (за редким исключением) 10° (ср. табл. 2 с табл. 5—7 в [1]). Отклонения вызваны образованием цикла и включением в качестве переменных углов ω, которые ранее [1], при минимизации энергии линейных фрагментов, жестко фиксировались. Наименьшее искажение испытывают параметры формы *B*₁. Конформационные состояния всех остатков циклического декапептида в *B*₁ расположены на картах φ — ψ свободных монопептидов в областях низкой энергии. В конформации *A*₁ остатки Ala¹ и Ala⁶ находятся на карте φ — ψ метиламида N-ацетил-L-аланина в области ~5 ккал/моль.

Таблица 1

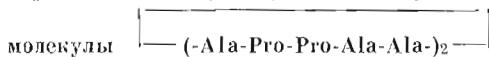
Предполагаемые формы пептидного скелета антаманида с различными системами водородных связей

A	B	C

Примечания: 1. Буквы R , B , L обозначают низкоэнергетические конформационные состояния остатков, находящиеся на карте $\varphi - \psi$ и первом, втором и третьем квадрантах соответственно. Буквы M и H отвечают сшернутым конформациям во втором и четвертом квадрантах с водородной связью типа 3-1, замыкающей 7-членный цикл. 2. Скобка над двумя соседними буквами означает водородную связь типа 4-1, замыкающую 10-членный цикл. 3. Система A состоит из четырех водородных связей типа 4-1 и двух 3-1; все пептидные группы находятся в транс-конфигурации. Система B включает по две водородные связи 3-1, 4-1 и 8-1; B — по две связи 3-1, 4-1 и 6-1 (рисунок). В системах B и C две третичноамильные группы между остатками Pro² и Pro³, Pro⁷ и Pro⁸ находятся в цис-конфигурации; в этом случае конформационное состояние Pro²(Pro³) обозначено буквой со штриховым индексом.

Таблица 2

Геометрические и энергетические параметры низкоэнергетических конформаций



Конформация	Углы, град.	Ala ¹ , Ala ⁶	Pro ² , Pro ⁷	Pro ³ , Pro ⁸	Ala ⁴ , Ala ⁹	Ala ⁵ , Ala ¹⁰	$E_{\text{общ}}$, ккал/моль
A_1	φ	7	-55	-55	-131	60	0
	ψ	78	-45	-14	14	-74	
	ω	180	177	179	-178	-177	
B_1	φ	-111	-65	-65	-80	-98	3,9
	ψ	90	145	-16	55	72	
	ω	-171	3	-177	-166	178	
A_2	φ	-84	-55	-55	-70	77	6,2
	ψ	146	-52	-30	-17	-66	
	ω	--174	172	177	170	-166	

Примечание. Отсчет углов φ , ψ и ω соответствует номенклатуре IUPAC-IUB [2].

Другие формы цикла, приведенные в табл. 1, маловероятны. Минимизация соответствующих им исходных приближений приводит или к структурам с очень высокой энергией, или к разрушению следующей из эксперимента системы водородных связей, или к спуску в область потенциальной поверхности, отвечающей структурам A_1 , A_2 , B_1 .

В табл. 3 для конформаций A_1 , A_2 и B_1 приведены параметры внутримолекулярных водородных связей. В случае A_1 параметры всех шести связей близки к оптимальным ($l_{\text{опт}} = 1,80 \text{ \AA}$, $E_{\text{вс}} = -4,0 \text{ ккал/моль}$); в структурах A_2 и B_1 имеет место заметное отклонение от оптимальных

Таблица 3

Длины $\ell_{\text{O...H}}$ (Å) и энергия $E_{\text{в.с.}}$ (ккал/моль) водородных связей в низкоэнергетических конформациях молекулы $-(\text{Ala-Pro-Pro-Ala-Ala})_2-$

Функциональные группы остатков, образующие водородные связи $\text{C=O} \dots \text{H-N}$	A_1		A_2		B_1	
	$\ell_{\text{O...H}}$	$E_{\text{в.с.}}$	$\ell_{\text{O...H}}$	$E_{\text{в.с.}}$	$\ell_{\text{O...H}}$	$E_{\text{в.с.}}$
Ala ¹ (Ala ⁶) . . . Ala ⁴ (Ala ⁹)	4,83	-3,9	2,03	-2,5	2,11	-2,0
Pro ² (Pro ⁷) . . . Ala ⁵ (Ala ¹⁰)	4,82	-4,0	1,88	-3,7	-	-
Ala ⁴ (Ala ⁹) . . . Ala ⁶ (Ala ¹)	4,80	-4,0	1,85	-3,9	-	-
Pro ³ (Pro ⁸) . . . Ala ⁵ (Ala ¹⁰)	-	-	-	-	2,04	-2,5
Ala ⁴ (Ala ⁹) . . . Ala ¹ (Ala ⁶)	-	-	-	-	1,93	-3,3

значений. У B_1 наиболее ослаблены водородные связи типа 4—1, замыкающие 10-членные циклы с остатками -Pro-Pro- при *цис*-конфигурации промежуточной третичноамидной связи. В целом, однако, в найденных конформациях модельного циклодекапептида образование достаточно сложной системы водородных связей, в которую вовлечены все группы N—H, не вступает в противоречие с выгодными контактами в пределах как отдельных фрагментов, так и всей молекулы. Суммарная энергия водородных связей в A_1 составляет -23,8, A_2 — -19,2 и B_1 — -15,6 ккал/моль. Учитывая величины $E_{\text{общ}}$ (табл. 2), можно заключить, что конформация B_1 по невалентным взаимодействиям стабильнее A_1 и A_2 приблизительно на 4 ккал/моль. Следовательно, при ослаблении внутримолекулярных водородных связей (в достаточно слабополярной среде, например CHCl_3) наиболее предпочтительной формой пептидного скелета антаманида становится B_1 .

Однако, учитывая сравнительно небольшое различие в энергии найденных конформаций, сделать однозначный выбор глобальной формы представляется затруднительным.

Определение ориентаций боковых цепей антаманида выполнено в предположении, что их конформационные состояния определяются прежде всего взаимодействиями между соседними остатками и формой основной цепи. В связи с этим в расчете фрагментов (IV) — (VII) основные цепи фиксировались в положениях, отвечающих геометрии соответствующих участков конформаций A_1 , A_2 , B_1 модельного циклодекапептида (табл. 2). Первоначально для фрагментов (IV), (V) и (VII) находились низкоэнергетические состояния боковых цепей остатков Phe⁹, Val¹ и Phe⁶, расположенных рядом с остатками Pro. Полученные данные использовались затем в расчете фрагмента (VI) при поиске конформации боковой цепи Phe⁵ (Phe¹⁰).

Найденные после минимизации значения углов χ , отвечающие низкоэнергетическим состояниям боковых цепей, приведены в табл. 4. Во всех случаях имеется несколько практически эквивалентных по энергии (0—1 ккал/моль) углов вращения вокруг связей $\text{C}^\alpha-\text{C}^\beta$ и $\text{C}^\beta-\text{C}^\gamma$. У остатков Phe, Val и Ala углы χ^1 находятся вблизи минимумов торсионного потенциала (180° , -60° и 60°). Таким образом, взаимодействия между остатками в трипептидных фрагментах антаманида не приводят к полному детерминированию конформационных состояний боковых цепей. Анализ молекуллярных моделей, однако, показывает, что приведенные в табл. 4 наборы углов χ^1 , χ^2 неодинаковы в отношении взаимодействий между более удаленными остатками.

Рассмотрим роль взаимодействий противостоящих в цикле остатков на примере структуры B_1 . Самым выгодным значением угла χ у -Val¹- в B_1 является -59° ; при такой ориентации обе группы CH_3 валина обра-

Таблица 4

Конформационные состояния боковых цепей антаманида

Остаток	Углы вращения, град.	Конформация пептидного остова		
		A_1	A_2	B_1
Val ¹	χ^1	-54, 47	-56, 58	-59, 176, 48
Ala ⁴	χ^1	60	61	62
Phe ⁵	χ^1	172, -58	-51	-50, -70
Phe ¹⁰	χ^2	37, 87	135	150, 97
Phe ⁶	χ^1	-150, -61	-59, -51	170, 179, -58
	χ^2	125, 88	90, 149	31, 83, 86
Phe ⁹	χ^1	-49, -51	-147, -148	-41, -38
	χ^2	81, 136	91, 53	94, 145

щены наружу. Положения боковой цепи -Val¹- при $\chi = 176$ и 48° менее предпочтительны за величину $\sim 1,0$ ккал/моль. И в том и в другом случаях одна из метильных групп оказывается сближенной с группой CH₃ остатка Ala⁴, что дополнительно повышает энергию этих состояний. Остатки Phe⁵ и Phe¹⁰ имеют две низкоэнергетические конформации, различающиеся на 1 ккал/моль. При ориентации $\chi^1 = -70^\circ$ и $\chi^2 = 97^\circ$ могут осуществляться более эффективно, чем при $\chi^1 = -50^\circ$ и $\chi^2 = 150^\circ$, дисперсионные взаимодействия бензольных колец -Phe⁵- и -Phe¹⁰- с пирролидиновыми циклами соответственно -Pro²- и -Pro⁷. Сильная стабилизация возникает также при взаимодействии боковых цепей -Phe⁶- и -Phe⁹-, когда у первого остатка $\chi^1 = 170^\circ$ и $\chi^2 = 31^\circ$, а у второго $\chi^1 = -41^\circ$ и $\chi^2 = 94^\circ$. При этих значениях плоскости бензольных колец параллельны друг другу и находятся на расстоянии $\sim 3 \text{ \AA}$, что отвечает максимальным дисперсионным взаимодействиям. При других комбинациях углов χ^1 , χ^2 у остатков Phe⁶ и Phe⁹ взаимодействия боковых цепей или отсутствуют, или приводят к дестабилизации. В табл. 4 выделены углы χ^1 , χ^2 , обеспечивающие в структурах A_1 , A_2 и B_1 антаманида выгодные контакты между боковыми цепями противостоящих в цикле остатков.

Перед сопоставлением результатов расчета с опытными данными отметим те конформационные особенности антаманида, его аналогов и комплексов с ионами щелочных металлов, которые были надежно установлены экспериментальным путем — комплексом физико-химических методов [3—5] и методом прямого рентгеноструктурного анализа [6, 7].

1. Переход от неполярной к полярной среде сопровождается конформационными перестройками молекулы. Об этом свидетельствуют значительные изменения интенсивности и положения эффектов Коттона в спектрах КД, происходящие при смене растворителя [4]. Следовательно, антаманид имеет несколько близких по энергии конформаций.

2. Антаманид и его исследованные аналоги ([Val⁶, Ala⁹]-антаманид и пергидроантаманид) обладают весьма близкими конформационными свойствами. На это указывает сходный характер изменений их кривых КД при переходе от одной среды к другой, а также спектры ЯМР и ИК [4]. Следовательно, конформационная стабильность антаманида обусловлена прежде всего взаимодействием атомов пептидного остова.

3. В неполярной среде наиболее устойчивая конформация антаманида обладает системой водородных связей, которая включает все шесть групп N—H молекулы. Этот факт однозначно был установлен с помощью ИК- и ЯМР-спектров.

4. Структура пептидного остова антаманида и его аналогов обладает симметрией, близкой к C_2 . Полученные [4, 5] спектры ЯМР содержат

шесть сигналов N—H, которые по величинам химических сдвигов, температурной зависимости и константам спин-спинового взаимодействия разделяются на три пары, свидетельствуя тем самым о конформационном сходстве основных цепей диаметрально противоположных остатков.

5. Три пары водородных связей антаманида неэквивалентны по энергии. Измерение температурных градиентов химических сдвигов N—H и скоростей дейтерообмена NH → ND показало, что наиболее сильные водородные связи образуют группы N—H остатков Val¹ и Phe⁶, наиболее слабые — Ala⁴ и Phe⁹; промежуточное положение занимают связи, в которых участвуют N—H остатков Phe⁵ и Phe¹⁰ [4, 5].

6. Комплексная форма антаманида имеет *цис*-конфигурацию третично-амидных связей между остатками Pro² и Pro³, Pro⁷ и Pro⁸; остальные пептидные связи обладают *транс*-конфигурацией. Это установлено рентгеноструктурным анализом литиевого комплекса антаманида и натриевого комплекса [Phe⁴, Val⁶]-антаманида [6, 7]. Исследования спектров ¹H-ЯМР [4] и ¹³C-ЯМР [5] показали, что образование ионного комплекса сопровождается значительными конформационными перестройками с разрушением шести водородных связей и образованием двух новых связей типа 4—1 между группами N—H остатков Val¹ и Phe⁶ и C=O остатков Pro⁸ и Pro³ соответственно. Однако ни в одном случае не были обнаружены конфигурационные изменения связей. Доказательство конфигурационной стабильности третичноамидных групп означало бы, что конформации антаманида в неполярной среде и его комплексов с ионами щелочных металлов не должны различаться между собой в отношении конфигураций пептидных связей.

Из перечисленных особенностей структуры антаманида свойства 2—4 были использованы нами в расчете. Они послужили основанием длядельного рассмотрения конформационных состояний пептидного остова и боковых цепей, поиска низкоэнергетических структур циклического декапептида $\square\text{(-Ala-Pro-Pro-Ala-Ala)}_2\square$ с различными системами внутримолекулярных водородных связей. Поэтому условиям 2—4 удовлетворяют найденные конформации A₁, A₂ и B₁. Свойства 5 и 6 нами не постулировались.

В табл. 5 сопоставлены расчетные и экспериментальные значения констант спин-спинового взаимодействия протонов во фрагментах NH—CH и дипольных моментов. Несколько лучшее совпадение по сравнению с формами A₁, A₂ наблюдается для формы B₁. Однако имеющиеся различия в значениях ³J_{NH-CH} трудно объяснить без предположения о наличии в равновесии помимо B₁ других форм. Следуемая из спектров ЯМР неэквивалентность водородных связей также лучше всего согласуется со структурой B₁.

Ранее [3—5, 9] для антаманида на основе опытных данных были предложены различные структуры, имеющие как *транс*-, так и *цис*-конфигурацию третичноамидных групп. Например, анализируя спектры ЯМР, КД и ИК, авторы [4] пришли к заключению, что антаманид в неполярных средах имеет конформацию с системой водородных связей A₁. Патель [5], исследуя спектры ¹H- и ¹³C-ЯМР неполярных растворов антаманида, предположил два варианта структуры молекулы с шестью водородными связями и *цис*-конфигурацией третичноамидных групп (типов B и Г; табл. 1 в [1]). Предпочтение было отдано второй форме Г с *цис*-третично-амидными группами между остатками Val¹ и Pro², Phe⁶ и Pro⁷. В первой форме геометрия некоторых остатков хорошо соответствует расчетной конформации B₁; в целом же различия между структурами Пателя и найденными нами достаточно велики. Следует отметить, что выбор значений углов ϕ, сделанный в работе [5] на основе атомных моделей, нельзя считать надежным. Дополнительным источником погрешностей послужило также предположение о плоском строении всех амидных групп.

Расчетные и экспериментальные значения констант спин-спинового взаимодействия ${}^3J_{\text{NH}-\text{CH}}$ и дипольных моментов μ оптимальных конформаций антаманида

Остатки	A_1	A_2	B_1	Антаманид ($\text{CD}_3\text{CO}_2\text{H}$) [5]	[Val ⁴ , Ala ⁹]-антаманид (CDCl_3) [4]
	${}^3J_{\text{NH}-\text{CH}}^{\text{теор}}$, Гц			${}^3J_{\text{NH}-\text{CH}}^{\text{эксп}}$, Гц	
Val ¹	3,1	7,4	10,6	7,1—9,3	7,2
Phe ⁶					
Ala ⁴	10,5	5,0	6,8	7,1—9,3	9,3
Phe ⁹					
Phe ⁵	8,7	7,9	9,5	7,1—9,3	7,6
Phe ¹⁰					
—	$\mu^{\text{теор}}$, D			$\mu^{\text{эксп}}$ (CDCl_3), D	
—	3,3	1,9	3,2	5,2	—

* Найдены по формуле Быстрова и др. [8] с использованием расчетных значений угла ϕ .

** Получены из соотношения ${}^3J_{\text{NH}-\text{CH}}^{\text{эксп}} = 1,09 \cdot {}^3J_{\text{NH}-\text{CH}}^{\text{набл}}$ [8].

В другой работе Тонелли [9], используя данные по константам ${}^3J_{\text{NH}-\text{CH}}$, конформационные карты свободных аминокислотных остатков и атомные модели, предложил формы типов B и Γ , которые весьма близки соответствующим формам Пателя [5]. И в этом случае конформация Γ считалась наиболее предпочтительной. Используемый Тонелли подход также не безупречен. Некорректна здесь оценка энергии антаманида на основе аддитивной суммы величин, найденных из конформационных карт изолированных остатков. Помимо того что отбор низкоэнергетических форм отдельных остатков в рассматриваемой работе произволен, полностью игнорируются взаимодействия между ними, которые (особенно в циклической молекуле) могут играть существенную конформационную роль.

Конформация комплекса антаманида с Li^+ и Na^+ была установлена Карле [6, 7] с помощью рентгеноструктурного анализа. Мы проминимизировали энергию этой конформации без учета взаимодействия молекулы с ионом щелочного металла. Оказалось, что антаманид реализуется в стабильной конформации, геометрические параметры которой практически не отличаются от параметров структуры, найденной экспериментально. Следовательно, взаимодействия с ионом не создают особую конформацию антаманида, а лишь дополнительно стабилизируют присущую молекуле оптимальную форму. Ее потенциальная энергия на ~ 15 — 20 ккал/моль превышает энергию конформаций A_1 , B_1 , A_2 , что объясняется потерей четырех водородных связей и менее выгодными электростатическими взаимодействиями. Что же касается невалентных взаимодействий, то они в комплексной форме антаманида на несколько ккал/моль более предпочтительны. Энергия взаимодействия антаманида с ионом щелочного металла идет на преодоление потенциального барьера, разделяющего две оптимальные конформации, и на дополнительную стабилизацию комплексной формы. Ориентировочную оценку этой энергии можно сделать из сравнения частот валентных колебаний групп $\text{C}=\text{O}$, взаимодействующих с ионом металла и вовлеченных в водородные связи. Как следует из работы [4], в ИК-спектрах как нейтрального, так и комплексного антаманида в растворе $\text{CCl}_4-\text{CH}_3\text{CN}$ (2 : 1) полосы поглощения ассоциированных групп $\text{C}=\text{O}$ находятся приблизительно в одной и той же области (1660—

Таблица 6

Геометрические параметры конформации B_1 и комплексной формы антаманида [7]

Остаток	Углы вращения, град.			Остаток	Углы вращения, град.		
	Обозначение	B_1	Комплекс		Обозначение	B_1	Комплекс
Val ¹	φ_1	-111	-115	Phe ⁶	φ_6	-111	-123
	ψ_1	90	138		ψ_6	90	140
	ω_1	-171	179		ω_6	-171	-172
	χ_1	-59	-68		χ_6^1	170	-176
Pro ²	φ_2	-65	-65	Pro ⁷	φ_7	-65	-74
	ψ_2	145	139		ψ_7	145	145
	ω_2	3	-4		ω_7	3	-3
Pro ³	φ_3	-65	-81	Pro ⁸	φ_8	-65	-69
	ψ_3	-16	148		ψ_8	-16	145
	ω_3	-177	-174		ω_8	-177	-175
Ala ⁴	φ_4	-80	-69	Phe ⁹	φ_9	-80	-79
	ψ_4	55	-13		ψ_9	55	-13
	ω_4	-166	175		ω_9	-166	172
					χ_9^1	-41	-60
Phe ⁵	φ_5	-98	-84	Phe ¹⁰	φ_{10}	-98	-90
	ψ_5	72	-6		ψ_{10}	72	8
	ω_5	178	-178		ω_{10}	178	173
	χ_5^1	-70	66		χ_{10}^1	-70	59
	χ_5^2	97	84		χ_{10}^2	97	88

1630 см⁻¹). Поэтому можно предположить, что энергия взаимодействия одной карбонильной группы с ионом близка энергии водородной связи.

Для подтверждения реальности рассчитанных нами конформаций антаманида было интересно выяснить возможность их перехода в комплексную структуру без разрыва валентных связей, а также оценить величину разделяющего их потенциального барьера. В качестве примера была выбрана конформация B_1 . В табл. 6 геометрические параметры B_1 сопоставлены с параметрами комплекса [7], которые, как отмечено выше, практически полностью отвечают одной из низкоэнергетических оптимальных форм свободного антаманида. Имеющиеся различия между двумя структурами весьма характерны; они касаются лишь углов ψ , определяющих ориентацию группы C=O, и углов χ^1 остатков Phe⁵ и Phe¹⁰. Для осуществления захвата антаманидом иона такие изменения при переходе от нейтральной к комплексной форме представляются минимальными и необходимыми для переориентации карбонильных групп. Поворот боковых цепей -Phe⁵- и -Phe¹⁰- вокруг связей C^a-C^b обусловлен невыгодностью положения $\chi^1 = -70^\circ$ при новом пространственном строении пептидного остова. В то же время значение $\chi^1 = 60^\circ$ является запрещенным в случае B_1 . Для проверки возможности перехода конформации B_1 в комплексную форму только за счет изменения в известных пределах всех углов ψ (за исключением ψ_2 и ψ_7 ; табл. 6) были составлены 10 вариантов начальных приближений с промежуточным набором переменных. В процессе минимизации после образования замкнутой системы с нормальными длинами связей и валентными углами [1] энергия нестабильных промежуточных форм превышала энергию конформации B_1 не более чем на несколько десятков ккал/моль. Использованная процедура не позволяет сделать однозначного заключения о пути изомеризации антаманида при его взаимодействии с ионом щелочного металла. Тем не менее полученные результаты доказывают принципиальную возможность перехода рассчитанной нами конформации B_1 нейтральной молекулы в комплексную форму без разрыва химических связей; необходимая для этого энергия может быть компенсирована энергией возникающих взаимодействий между карбонильными группами антаманида и ионом металла.

ЛИТЕРАТУРА

1. Плетнев В. З., Громов Э. П., Попов Е. М. (1975) Биоорганс. химия, 1, 328—339.
2. IUPAC—IUB Commission on Biochemical Nomenclature (1970) Biochemistry, 9, 3471—3478.
3. Faulstich H., Burgermeister W., Wieland Th. (1972) Biochem. and Biophys. Res. Commun., 47, 975—983.
4. Иванов В. Т., Мирошников А. И., Козьмин С. А., Мещерякова Е. Н., Сенявина Іл. Б., Уварова І. Н., Халилуллина К. Х., Забродин В. А., Быстров В. Ф., Овчинников Ю. А. (1973) Химия природн. соедин., 378—394.
5. Patel J. (1973) Biochemistry, 12, 667—676.
6. Karle I. L., Karle J., Wieland Th., Burgermeister W., Faulstich H., Witkop B. (1973) Proc. Nat. Acad. Sci. USA, 70, 1836—1840.
7. Karle I. L. (1974) Biochemistry, 13, 2155—2162.
8. Bystrov V. F., Ivanov V. T., Portnova S. L., Balashova T. A., Ovchinnikov Yu. A. (1973) Tetrahedron, 29, 873—877.
9. Tonelli A. E. (1973) Biochemistry, 12, 689—692.

Поступила в редакцию
14.VII.1975

THEORETICAL CONFORMATIONAL ANALYSIS OF ANTAMANIDE. II. THE CONFORMATIONS WITH INTRAMOLECULAR HYDROGEN BONDS

GROMOV E. P., PLETNEV V. Z., POPOV E. M.

M. M. Shemyakin Institute of Bioorganic Chemistry, Academy
of Sciences of the USSR, Moscow

The structure computation was performed for antamanide. The potential energy minimization procedure comprising all types of intramolecular interactions yielded three lowest energy forms with *cis*- and *trans*-configurations of amide groups, each form having six hydrogen bonds. The results obtained were compared with the experimental data. The energy difference between the most stable conformation in a neutral medium and the complex form was found to be less than the energy of the ion-dipole interaction.