



УДК 577.413.4

ХИМИЧЕСКИЕ РЕАКЦИИ В ДВУХСПИРАЛЬНЫХ НУКЛЕИНОВЫХ КИСЛОТАХ

I. ХИМИЧЕСКОЕ ЛИГИРОВАНИЕ КАК МЕТОД ВВЕДЕНИЯ ФОСФОАМИДНЫХ И ПИРОФОСФАТНЫХ МЕЖНУКЛЕОТИДНЫХ СВЯЗЕЙ В ДНК-ДУПЛЕКСЫ

*Долинная Н. Г., Грязнова О. И., Соколова Н. И.,
Шабарова З. А.*

*Московский государственный университет им. М. В. Ломоносова,
Межфакультетская проблемная научно-исследовательская лаборатория
молекулярной биологии и биоорганической химии им. А. Н. Белозерского
и Химический факультет*

Показано, что короткие ДНК-дуплексы с единичным разрывом в одной из цепей являются удобными моделями для получения количественных характеристик реакций химического лигирования и оценки возможностей этого метода для введения точечных модификаций в сахарофосфатный остов ДНК. Отработаны оптимальные условия сборки ДНК-дуплексов под действием водорастворимого карбодимиды. Показано, что замена 3'-гидроксильной группы в участке «спивания» на амино- или фосфогруппу приводит к 70- или 45-кратному увеличению начальной скорости реакции соответственно, причем положение (3'- или 5'-)аминогруппы существенно не влияет на скорость реакции. Выход модифицированных ДНК-дуплексов через 6 ч достигает 96—100%. ДНК-лигаза не способна катализировать образование неприродных фосфоамидной или пирофосфатной связей при сборке соответствующих дуплексов.

В современной молекулярной биологии и биоорганической химии все более заметную роль начинают играть синтетические модифицированные аналоги ДНК-дуплексов. Изучение их статической и динамической конформации позволяет расширить наши знания о конформационных возможностях ДНК. Применение их в качестве субстратов и ингибиторов важно для изучения проблемы белково-нуклеинового узнавания и более глубокого понимания механизма действия широкого круга ферментов, таких, как эндонуклеазы рестрикции, РНК- и ДНК-полимеразы, а также белков, участвующих в процессах транспозиции генов, в процессинге и т. д. Интересным в этом плане, но пока малоизученными являются ДНК-дуплексы с точечными модификациями в сахарофосфатном остове, в частности содержащие неприродные или конформационно-измененные межнуклеотидные связи.

Для получения таких модифицированных дуплексов весьма перспективным представляется предложенный нами ранее [1] метод химического лигирования (альтернативный ферментативному лигированию), который заключается в сборке двухспиральных ДНК путем конденсации олигонуклеотидных блоков на комплементарной матрице под действием химических реагентов. Этот метод позволяет в процессе сборки ДНК-дуплексов вводить точечные модификации в заданное положение полинуклеотидной цепи, поскольку при химическом лигировании снимаются ограничения, обусловленные требованиями субстратной специфичности фермента. Именно таким путем удалось впервые получить ДНК-дуплексы конкатемерного типа, содержащие неприродные фосфоамидные [2] или пирофосфатные [3] межнуклеотидные связи. Однако на конкатемерных системах трудно получить четкие сравнительные характеристики образования природных и модифицированных связей. Удобными для этой цели являются короткие фрагменты ДНК с единичным разрывом в одной из це-

Сокращения: МКХ — микроколоночная хроматография; MES — 2-морфолиноэтансульфонат.

Структура исследованных ДНК-дуплексов *

№	Олигонуклеотидный состав дуплексов	Структура узла «сшивания»
(I)	$\begin{array}{l} \text{5' A-C-G-G-A-TpC-C-A-G-G-A-G-T-G-A-C} \\ \text{3' G-C-C-T-A-G-G-T-C-C-T-C-A-C} \end{array}$	
(II)	$\begin{array}{l} \text{A-C-G-G-A-TpC-C-A-G-G-A-G-T-G-A-C} \\ \text{G-C-C-T-A-G-G-T-C-C-T-C-A-C} \end{array}$	
(III)	$\begin{array}{l} \text{A-C-G-G-A-TpNH}_2\text{C-C-A-G-G-A-G-T-G-A-C} \\ \text{G-C-C-T-A-G-G-T-C-C-T-C-A-C} \end{array}$	
(IV)	$\begin{array}{l} \text{A-C-G-G-A-TNH}_2\text{pC-C-A-G-G-A-G-T-G-A-C} \\ \text{G-C-C-T-A-G-G-T-C-C-T-C-A-C} \end{array}$	
(V)	$\begin{array}{l} \text{A-C-G-G-A-TpC-C-A-G-G-A-G-T-G-A-C} \\ \text{G-C-C-T-A-G-G-T-C-C-T-C-A-C} \end{array}$	

* Префикс d везде опущен; стрелкой указано место одноцепочечного разрыва; p обозначает ^{32}P -метку.

пей. В настоящей работе исследована серия таких модельных дуплексов (табл. 1).

Как видно из табл. 1, все дуплексы построены из трех олигодезоксирибонуклеотидов — матричного тетрадекануклеотида и ряда комплементарных ему 6- и 11-звенных олигомеров, различающихся только структурой примыкающих к разрыву звеньев. Синтез и термическая устойчивость сконструированных дуплексов описаны нами в работе [4]. Такой набор дуплексов позволяет сравнить скорость и эффективность образования природной фосфодиэфирной, фосфоамидных (5'-N—P) или (3'-N—P), а также пиррофосфатной связей. Причем во всех случаях природа нуклеотидных звеньев, между которыми образуется новая межнуклеотидная связь, одинакова; неизменны также длина и нуклеотидная последовательность исходных дуплексов. Следует отметить, что в первичной структуре дуплексов заложен участок узнавания эндонуклеазы рестрикции *EcoRII*, непосредственно примыкающий к месту модификации.

Целью настоящего исследования было: а) определение оптимальных условий комплементарно-направленной конденсации двух олигонуклеотидов с гетерогенной нуклеотидной последовательностью под действием водорастворимого карбодимида; б) изучение влияния на скорость и эффективность химического лигирования замены гидроксильной группы в месте одноцепочечного разрыва на более нуклеофильные фосфатную и аминогруппы; в) сравнение возможностей химического реагента и ДНК-лигазы при сборке ДНК-дуплексов с модифицированными межнуклеотидными связями.

В качестве химического реагента, моделирующего действие ДНК-лигазы, был использован водорастворимый 1-этил-3-(3'-диметиламино-

Химическое лигирование в дуплексе (I)

№ реакционной смеси	Условия химического лигирования				Выход через 24 ч, %
	C_0 , М	$C_{КДИ}$ *, М	Температура, °С	pH	
1	10^{-3}	0,05	0	6	48
2	10^{-3}	0,1	0	6	51
3	10^{-3}	0,2	0	6	70
4	10^{-3}	0,5	0	6	72
5	10^{-4}	0,2	0	6	40
6	10^{-3}	0,2	-15	6	37
7	10^{-3}	0,2	+15	6	67
8	10^{-3}	0,2	+37	6	—
9	10^{-3}	0,2	0	5	65
10	10^{-3}	0,2	0	7	63

* КДИ — карбодимид.

пропил)карбодимид (далее — карбодимид). Высокая активность этого карбодимида как конденсирующего агента обусловлена его самоактивацией за счет образования внутримолекулярного 6-членного цикла с фиксированным положительным зарядом вблизи электрофильного центра [5].

Для определения оптимальных условий химического лигирования был использован дуплекс I (табл. 1), в состав которого входят немодифицированные гексануклеотид с 3'-концевой фосфатной группой и ундекануклеотид. В этом дуплексе акцептором активированного фосфата является 5'-гидроксильная группа, которая, как было показано [6], является более активной в реакциях химического лигирования по сравнению с 3'-гидроксильной группой. Условия реакции приведены в табл. 2. Варьировали концентрацию карбодимида, нуклеотидную концентрацию, температуру протекания реакции, pH буферного раствора. Реакционные смеси инкубировали в течение 6 сут, отбирая пробы через 6, 24 ч, 2, 4 и 6 сут. Анализ смесей проводили микроколоночной ионообменной хроматографией на сорбенте Lichrosorb-NH₂ в 7 М мочеvine (рис. 1). В условиях хроматографического разделения дуплекс, образованный гептадекануклеотидом — продуктом лигирования и тетрадекануклеотидной матрицей, не денатурирует, а выходит в виде симметричного пика (пик 4, рис. 1). Этот дуплекс удалось разделить методом электрофореза в ПААГ (рис. 2) после его выделения и мечения. По-видимому, образующийся комплекс является достаточно прочным, чтобы противостоять денатурирующему действию мочеvine [7] в условиях микроколоночного разделения, при котором в связи с малым объемом элюирующей интерфазы создается высокая нуклеотидная концентрация.

Сравнение выходов продукта химического лигирования через 24 ч (табл. 2) свидетельствует о том, что увеличение концентрации карбодимида от 0,05 до 0,2 М приводит к значительному повышению выхода, причем, по данным микроколоночной хроматографии, реакционная смесь практически не содержит продуктов карбодимидной модификации. Дальнейшее повышение концентрации карбодимида не оказывает заметного влияния на выход гептадекануклеотида, в то же время повышает вероятность накопления модифицированных олигонуклеотидов [6]. Поэтому повышение концентрации конденсирующего агента выше 0,2 М нецелесообразно. Уменьшение в 10 раз нуклеотидной концентрации (C_0) от стандартно используемой 10^{-3} М (на мономер) вызывает уменьшение выхода продукта, что, вероятно, связано с частичной дестабилизацией дуплекса. Ранее нами было установлено, что устойчивость дуплекса является решающим фактором успешного химического лигирования [1]. Поэтому реакционные смеси обычно инкубировались при 0° С, когда двухспиральный комплекс заведомо устойчив. Изменение температуры проведения реакции в интервале от -15 до 37° С подтвердило, что при 0° С выход продукта лигирования

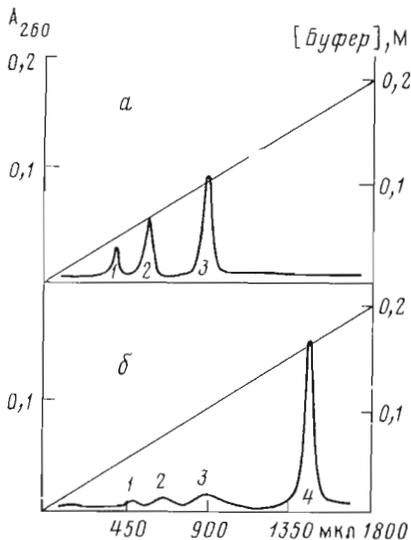


Рис. 1

Рис. 1. МКХ на сорбенте Lichrosorb-NH₂ реакционной смеси, содержащей дуплекс (I) и карбодимид в начальный момент времени (а), через 3 сут инкубации (б) (условия реакции см. в тексте). Пик 1 — d(ACGGATp); пик 2 — d(CCAGGAGTGAC); пик 3 — d(CACTCCTGGATCCG); пик 4 — дуплекс (I) после проведения конденсации

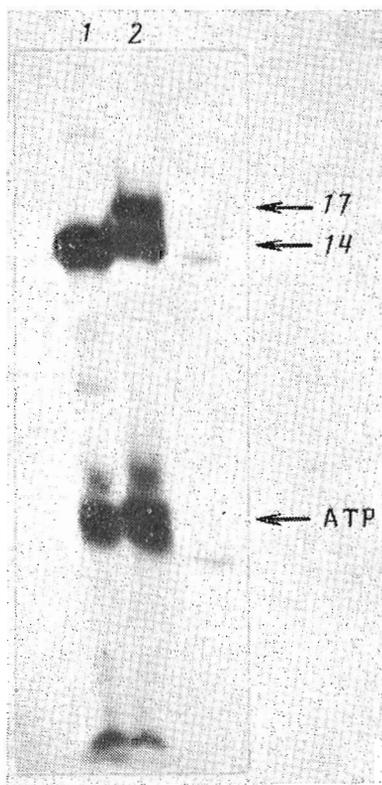


Рис. 2

Рис. 2. Радиоавтограф электрофореза в 20% ПААГ олигонуклеотидного материала из выделенного МКХ пика 4 (см. рис. 1) (2), тетрадекануклеотид-матрица (1)

максимальный. В замороженном растворе конденсация замедляется, а при повышении температуры до 37° С гептадекануклеотид не образуется, что связано с денатурацией дуплекса. Следует отметить, что по мере повышения температуры в реакционной смеси накапливаются побочные продукты карбодимидной модификации олигонуклеотидов. Матрично-зависимый характер химического лигирования подтверждается также тем, что в контрольном эксперименте в отсутствие матрицы конденсация гекса- и ундекануклеотидов не наблюдается.

Изменение рН буферного раствора от рН 6 на единицу в кислую или щелочную области не оказывает существенного влияния на скорость реакции и не вызывает накопления побочных продуктов; следовательно, рН в этом диапазоне значений можно варьировать.

Таким образом, на основании экспериментальных данных можно сделать вывод, что наиболее эффективно химическое лигирование идет в реакционной смеси 3 (табл. 2). Через 3 сут выход продукта конденсации достигает 90%.

В установленных оптимальных условиях было проведено химическое лигирование в дуплексах (II)—(V) (табл. 1). Реакционные смеси анализировали двумя методами. Анализ смесей (I) и (III), содержащих 3'-фосфорилированный гексануклеотид, осуществляли с помощью МКХ, причем в этих случаях компоненты смешивали в эквимольных соотношениях. В смесях (II), (IV) и (V) использовали ³²P-меченый ундекануклеотид, который брали в 1,5-кратном недостатке по отношению к немеченым компо-

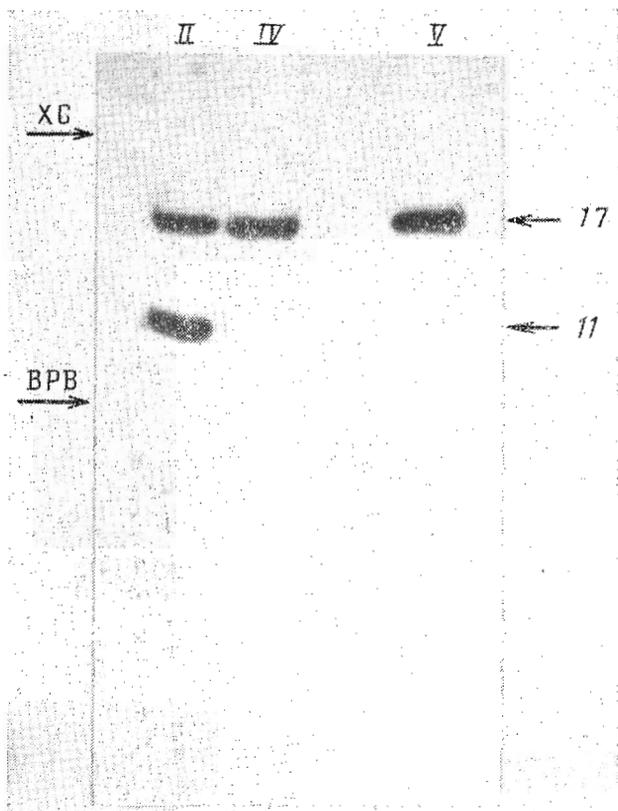


Рис. 3. Радиоавтограф электрофореза в 20% ПААГ реакционных смесей после химического лигирования в дуплексах (II), (IV) и (V) через 2 сут инкубации. Над дорожками обозначены номера соответствующих дуплексов. Цифры справа указывают длину олигонуклеотидов. ХС — ксиленцианол, ВРВ — бромфеноловый синий

нентам. Анализ всех реакционных смесей проводили через одинаковые промежутки времени с помощью электрофореза в ПААГ.

В результате проведенных исследований было обнаружено, что химическое лигирование протекает эффективно во всех реакционных смесях. На рис. 3 в качестве примера приведен радиоавтограф электрофореза в ПААГ реакционных смесей (II), (IV) и (V) через 2 сут инкубации. На рис. 4 и 5 суммированы кривые накопления продуктов химического лигирования во всех изученных дуплексах. Из представленных данных видно, что скорость химического лигирования сильно зависит от нуклеофильности группы, атакующей активированный фосфат, что согласуется с полученными ранее данными на конкатемерных системах [2, 3]. Замена 3'-гидроксильной группы в участке «сшивания» на амино- или фосфогруппу приводит к 70- или 45-кратному увеличению начальной скорости реакции соответственно (рис. 4, 5). Выход гептадекануклеотида с пирофосфатной или фосфоамидной межнуклеотидной связью близок к 100% уже через 6 ч инкубации, причем скорость образования фосфоамидной связи выше, чем пирофосфатной. Термическая устойчивость всех изученных дуплексов практически одинакова [4], т. е. введение «лишней» фосфатной группы или замена гидроксильной группы на аминогруппу в месте разрыва не сказывается существенно на термодинамических и геометрических параметрах спирали, хотя очевидно, что взаимная ориентация и сближенность реагирующих групп в этих случаях будут иными, чем в узле гидроксил — фосфат. В связи с этим можно считать, что увеличение скорости реакции в в дуплексах (III)—(V) обусловлено главным образом увеличением нуклеофильности групп, атакующих активированный фосфат.

Сопоставление скоростей химического лигирования в дуплексах (I) и (II), а также (III) и (IV) (табл. 1), различающихся положением нуклео-

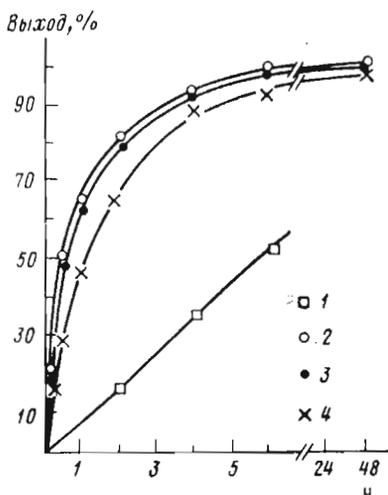


Рис. 4

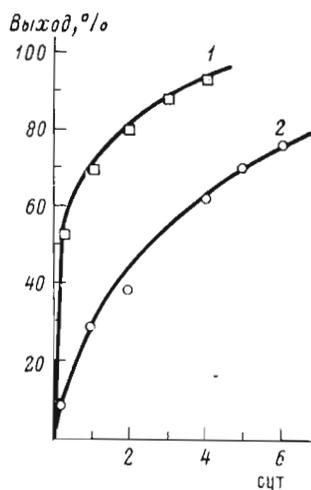


Рис. 5

Рис. 4. Кривые накопления продуктов химического лигирования в дуплексах (I) (1), (II) (2), (IV) (3), (V) (4)

Рис. 5. Кривые накопления продуктов химического лигирования в дуплексах (I) (1) и (II) (2)

фильной группы в реакционном узле, показывает, что новая межнуклеотидная связь образуется быстрее, если гидроксильная или аминогруппа находятся в 5'-положении олигомера (смеси (I) и (II), табл. 1). Так, начальная скорость образования фосфодиэфирной связи в дуплексе (I) в 10 раз выше, чем в дуплексе (II). Однако при образовании фосфоамидной связи скорости реакции, обусловленные положением аминогруппы, различаются в 1,4 раза, т. е. значительно меньше, чем при образовании фосфодиэфирной связи (см. рис. 4, 5). По-видимому, с ростом нуклеофильности различия в реакционной способности 3'- или 5'-концевых групп, связанные с химическим строением и конформационными особенностями, такими, как экспонированность, гибкость, пространственная ориентация и т. д., нивелируются. В работах Оргела и др. [8] также было показано, что в матрично-направленных реакциях сильные нуклеофилы могут активно реагировать даже при ориентации взаимодействующих групп, далекой от оптимальной.

Для доказательства природы образующихся при конденсациях в дуплексах (III)–(V) межнуклеотидных связей аномального типа — фосфоамидных и пирофосфатных — было проведено избирательное расщепление модифицированных межнуклеотидных связей в полученных продуктах (комплементарные цепи образующихся дуплексов не разделяли): в первом случае — 15% уксусной кислотой, во втором — трифторуксусным ангидридом. Полученные после обработки смеси анализировали методом МКХ. В обоих случаях продукты реакции полностью расщеплялись до исходных олигонуклеотидов (рис. 6). Первичная структура гептадекануклеотидов, полученных химическим лигированием в дуплексах (I) и (II), подтверждена методом Максама — Гилберта (рис. 7).

Для изучения возможностей сборки модифицированных ДНК-дуплексов с помощью ДНК-лигазы были использованы дуплексы (IV) и (V) (табл. 1), содержащие 5'-фосфорилированный ундекануклеотид. Дуплекс (II), образованный немодифицированными олигонуклеотидами, использовался как контрольный. Полученные результаты представлены на рис. 8. Оказалось, что фермент не способен синтезировать неприродные межнуклеотидные связи. На рис. 8 видно, что в результате реакции с ДНК-лигазой образовались новые ^{32}P -меченые продукты, отличающиеся по подвижности в ПААГ от исходного ^{32}P -меченого ундекануклеотида. На основании литературных данных [9, 10] этим соединениям может быть приписана

Рис. 6. Анализ методом МКХ продукта химического лигирования в дуплексе (III) до (а) и после (б) обработки 15% уксусной кислотой. Пик на рис. 6а соответствует дуплексу (III) после «сливания». Рис. 6б: пик 1 — d (ACGGATp), пик 2 — d (NH₂CCAGGAGTGAC), пик 3 — d (CACTCCTGGATCCG)

Рис. 7. Анализ по методу Максама — Гилберта нуклеотидной последовательности продукта химического лигирования в дуплексе (II)

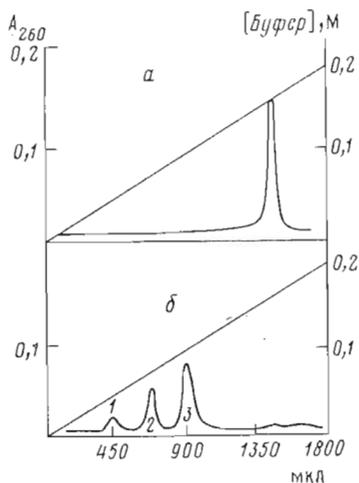


Рис. 6

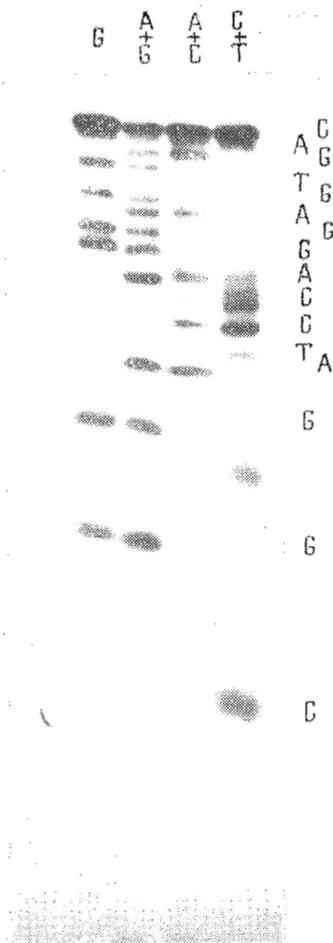


Рис. 7

структура смешанного ангидрида АМР и исходного ундекануклеотида. По-видимому, в этих случаях образуется каталитически неактивный фермент-субстратный комплекс, в котором не может реализоваться атака фосфо- или аминогруппами активированного фосфата (в силу чужеродной химической природы нуклеофила и (или) геометрического несоответствия реагирующих групп). Дальнейшее изучение таких субстратоподобных ингибиторов ДНК-лигазы может дать ценную информацию о стереохимических и энергетических особенностях ее активного центра.

Полученные данные показывают, что химическое лигирование является в настоящее время наиболее реальным методом введения неприродных межнуклеотидных связей в заданное положение ДНК-дуплексов. Замена гидроксильной группы на более нуклеофильные фосфо- и аминогруппы приводит к значительному ускорению реакции матрично-направленной конденсации олигодезоксинуклеотидов под действием карбодиимида. Выход продуктов лигирования при этом близок к количественному через 6 ч инкубации.

Полученные ДНК-дуплексы с фосфоамидными или пиродифосфатными связями в настоящее время используются для изучения субстратной специфичности и механизма действия эндонуклеазы рестрикции *EcoRII*. Такого рода исследования выполнялись ранее на конкатемерных модифицированных дуплексах [11].

Авторы выражают благодарность В. Л. Друце за помощь при работе с мечеными олигонуклеотидами.

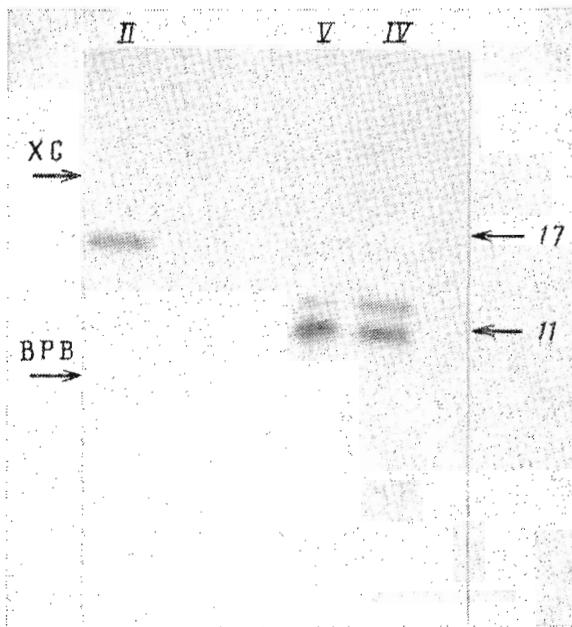


Рис. 8. Радиоавтограф электрофореза в 20% ПААГ продуктов ферментативного лигирования в дуплексах (II), (IV) и (V). Обозначения см. в подписи к рис. 3

Экспериментальная часть

В работе использовали 2-морфолиноэтансульфонат, гидрохлорид 1-этил-3-(3'-диметиламинопропил)карбодимид, трис, акриламид, Lichrosorb-NH₂ с частицами 10 мкм (Merck, ФРГ); N,N'-метиленбисакриламид (BDH, Англия); N,N,N',N'-тетраметилендиамин (Serva, США); [γ -³²P]АТФ (Изотоп, СССР), Т4-полинуклеотидкиназу (КФ 2.7.1.78), Т4-ДНК-лигазу (КФ 6.5.1.1).

Были использованы следующие буферные растворы: 50 мМ MES (рН 6,0), 20 мМ MgCl₂(А); для Т4-полинуклеотидкиназы 50 мМ трис-НСl (рН 9,0), 10 мМ MgCl₂, 5 мМ дитиотреит, 2 мМ спермидин (В); для Т4-ДНК-лигазы 50 мМ трис-НСl (рН 7,5), 10 мМ MgCl₂, 0,1 мМ EDTA, 10 мМ 2-меркаптоэтанол (С).

Микроколоночную хроматографию проводили на сорбенте Lichrosorb-NH₂ в градиенте концентраций натрий-фосфатного буфера (0—0,2 М), рН 7, в присутствии 7 М мочевины. Выход олигонуклеотидов после конденсации рассчитывали по отношению площади пика конечного продукта к суммарной площади пиков исходных олигонуклеотидов и продукта.

Электрофорез осуществляли в 20% полиакриламидном геле толщиной 0,3 или 0,5 мм в присутствии 7 М мочевины в трис-боратном буфере, рН 8,3, при постоянном напряжении 1000 В. Выход продукта конденсации определяли по отношению его радиоактивности к суммарной радиоактивности исходного 5'-³²Р-ундекануклеотида и продукта.

5'-³²Р-Фосфорилирование олигонуклеотидов проводили в 10 мкл буфера В, содержащего 0,1 мМ олигонуклеотид, 10 мКи [γ -³²Р]АТФ и 1 ед. акт. Т4-полинуклеотидкиназы при 37° С в течение 20 мин. 5'-³²Р-Олигонуклеотиды выделяли электрофорезом в 20% ПААГ.

Химическое лигирование в дуплексах с помощью карбодимида проводили в буфере А при концентрации дуплекса и карбодимида 0,1 мМ и 0,2 М соответственно. Реакционные смеси инкубировали в темноте при 0° С. По окончании инкубации олигонуклеотидную фракцию осаждали этанолом и анализировали.

Ферментативное лигирование олигонуклеотидов в аналитическом варианте осуществляли в 10 мкл буфера С, содержащего по 0,1 мМ гекса-

и тетрадекануклеотидов, 0,07 мМ 5'-³²P-ундекануклеотида, 1 мМ АТР и 5 ед. акт. Т4-ДНК-лигазы. Смесь инкубировали при 8° С в течение 12 ч. Реакцию останавливали добавлением EDTA до конечной концентрации 20 мМ. Смесь выдерживали 30 мин при комнатной температуре, концентрировали в вакууме до минимального объема и анализировали электрофорезом в ПААГ.

Гидролиз фосфоамидной связи. 0,1 ОЕ₂₆₀ дуплекса, содержащего гептадекануклеотид с фосфоамидной связью, растворяли в 10 мкл 15% СН₃СООН и выдерживали на водяной бане 5 мин при 95° С. Раствор упаривали, следы уксусной кислоты удаляли многократным упариванием со спиртом и анализировали методом МКХ.

Гидролиз пиродифосфатной связи. 0,2 ОЕ₂₆₀ дуплекса, содержащего гептадекануклеотид с пиродифосфатной связью, растворяли в 15 мкл смеси пиридин — вода, 9 : 1, и обрабатывали 10 мкл свежеперегнанного трифторуксусного ангидрида. Раствор выдерживали 20 мин при комнатной температуре. Олигонуклеотидную фракцию осаждали спиртом и анализировали методом МКХ.

ЛИТЕРАТУРА

1. *Shabarova Z. A.* In: Physicochemical biology reviews, Soviet Scientific Reviews. Section D./Ed. Skulachev V. P. Harwood Acad. Publ. GmbH, 1984, p. 1—51.
2. *Исагулянц М. Г., Ивановская М. Г., Потапов В. К., Шабарова З. А.* Биоорганическая химия, 1985, т. 11, № 2, с. 239—247.
3. *Пурмаль А. А., Друца В. Л., Шабарова З. А.* Биоорганическая химия, 1984, т. 10, № 3, с. 394—400.
4. *Грязнова О. И., Долинная Н. Г., Исагулянц М. Г., Метелев В. Г., Орецькая Т. С., Удалов Н. И., Соколова Н. И., Шабарова З. А.* Биоорганическая химия, 1986, т. 12, № 1, с. 124—131.
5. *Ibrahim I. T., Williams A. J.* Amer. Chem. Soc., 1978, v. 100, № 23, p. 7420—7421.
6. *Shabarova Z. A., Dolinnaya N. G., Druza V. L., Melnicova N. P., Pural A. A.* Nucl. Acids Res., 1981, v. 9, № 21, p. 5747—5761.
7. *Асланян В. М., Бабаян Ю. С., Арутюнян С. Г.* Биофизика, 1984, т. XXIX, вып. 3, с. 372—376.
8. *Zielinski W. S., Orgel L. E.* Nucl. Acids Res., 1985, v. 13, № 7, p. 2469—2484.
9. *Deugau K. V., Sande J. H.* Biochemistry, 1978, v. 17, № 4, p. 723—729.
10. *Sgaratella V., Khorana H. G.* J. Mol. Biol., 1972, v. 72, № 2, p. 427—444.
11. *Пурмаль А. А., Виноградова М. Н., Елов А. А., Громова Е. С., Друца В. Л., Метелев В. Г., Холодков О. А., Бурьянов Я. И., Шабарова З. А.* Докл. АН СССР, 1984, т. 276, № 4, с. 992—995.

Поступила в редакцию
26.XI.1985

CHEMICAL REACTIONS IN NUCLEIC ACID DUPLEXES. I. CHEMICAL LIGATION AS A METHOD FOR INTRODUCTION OF PHOSPHOAMIDE AND PYROPHOSPHATE INTERNUCLEOTIDE BONDS INTO DNA DUPLEXES

DOLINNAYA N. G., GRYAZNOVA O. I., SOKOLOVA N. I., SHABAROVA Z. A.

A. N. Belozersky Laboratory of Molecular Biology and Bioorganic Chemistry, Chemistry Department, M. V. Lomonosov Moscow State University, Moscow

It was shown that short DNA duplexes with a nick are the suitable models for obtaining quantitative characteristics of chemical ligation reactions and for studying the possibilities of the method for introducing selective modifications into the DNA sugar-phosphate backbone. Optimal conditions for DNA duplex assembly using a water-soluble carbodiimide were developed. The substitution of amino- or phospho-group for a 3'-hydroxyl group at the joining site was demonstrated to result in a 70- or 45-fold acceleration of the reaction, respectively. The amino group position (3' or 5') had no tangible effect on the reaction rate. The yield of modified DNA duplexes attained 96—100% within 6 hours. DNA ligase was not capable of catalyzing unnatural, phosphoamide and pyrophosphate, bond formation in the assembly of these duplexes.