



БИООРГАНИЧЕСКАЯ ХИМИЯ

том 11 * №12* 1985

УДК 577.452.315'13:577.113.5:577.215

ПЕРВИЧНАЯ СТРУКТУРА α -СУБЪЕДИНИЦЫ Na^+, K^+ -АТР-азы

II. ВЫДЕЛЕНИЕ, ОБРАТНАЯ ТРАНСКРИПЦИЯ И КЛОНИРОВАНИЕ МАТРИЧНОЙ РНК

Петрухин К. Е., Броуде Н. Е., Арсениян С. Г.,
Гришин А. В., Джанджугазян Е. Н., Модянов Н. Н.

Институт биоорганической химии им. М. М. Шемякина
Академии наук СССР, Москва

Матричная РНК, кодирующая α -субъединицу Na^+, K^+ -АТР-азы, выделена из наружного мозгового слоя почек свиньи. мРНК дает полосу специфической гибридизации в области 25S – 26S с тремя олигонуклеотидными зондами, синтезированными на основании данных о структуре трех пептидов, выделенных из триптического гидролизата α -субъединицы Na^+, K^+ -АТР-азы.

Трансляция мРНК в ооцитах *Xenopus laevis* с последующей иммунохимической идентификацией продуктов синтеза подтверждла наличие мРНК α -субъединицы Na^+, K^+ -АТР-азы в обогащенной фракции poly(A^+)-РНК. Этот препарат использован для синтеза и клонирования двухцепочечной кДНК.

В предыдущем сообщении этой серии [1] были опубликованы результаты структурного анализа гидрофильных пептидов, образовавшихся при избирательном триптическом гидролизе α -субъединицы Na^+, K^+ -АТР-азы в составе мембранны-связанного фермента. На основании полученной информации были синтезированы специфические 17-членные олигонуклеотидные зонды, что позволило начать работы по анализу нуклеотидных последовательностей, соответствующих структурной части гена.

Настоящая работа посвящена выделению, характеризации и клонированию мРНК, кодирующей α -субъединицу Na^+, K^+ -АТР-азы.

Выделение суммарной poly (A^+)-содержащей мРНК из мозгового слоя почек свиньи

Наиболее интенсивно процессы активного транспорта Na^+ и K^+ осуществляются в наружном мозговом слое почек. Это связано с более высоким содержанием и, возможно, более активным синтезом Na^+, K^+ -АТР-азы и соответственно мРНК, кодирующей субъединицы этого фермента. Известно, что α -субъединица содержит около 900 аминокислотных остатков [2] и, следовательно, кодирующая ее мРНК имеет длину не менее 2700 нуклеотидных звеньев. Выделение таких высокомолекулярных мРНК связано с необходимостью эффективного ингибирования внутриклеточных рибонуклеаз. Кроме того, еще одним требованием к методам выделения суммарной клеточной РНК является получение продукта, который мог бы эффективно транскрибироваться в реакции синтеза первой цепи кДНК. Для выделения суммарной РНК наиболее часто используются методы, основанные на применении сильного хаотропного агента — тиоцианата гуанидиния, быстро денатурирующего эндогенные рибонуклеазы [3, 4]. При использовании метода горячей фенольной депротенизации в присутствии тиоцианата гуанидиния [4] нам удалось получить длинные недеградированные полиривобонуклеотиды. Однако в дальнейшем при использовании poly (A^+)-содержащей фракции РНК (poly (A^+)-РНК) в реакции синтеза

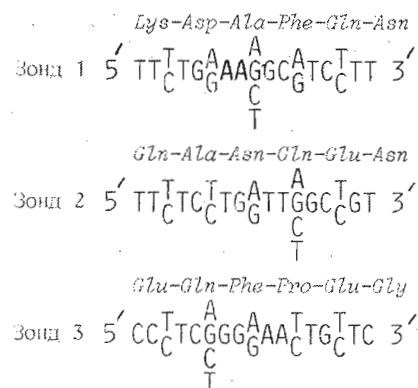
первой цели кДНК выход транскриптов был очень низким и составлял 5–7% от внесенной в реакцию РНК.

Наилучшие результаты в отношении сохранности полинуклеотидных цепей и последующего клонирования были получены при избирательном осаждении РНК хлористым литием в присутствии мочевины. В исходной методике [5, 6] подавление активности эндогенных РНКаз основано на денатурации клеточных белков мочевиной и внесении в смесь неспецифического ингибитора РНКаз — гепарина. В наших экспериментах гепарин был заменен специфическим высокоеффективным ингибитором РНКаз — ванадирибонуклеозидными комплексами.

При электрофоретическом анализе полученной таким образом суммарной РНК отчетливо видны узкие полосы 18S и 28S рибосомных РНК, что свидетельствует об отсутствии деградации даже таких длинных полиривнуклеотидов. При использовании такой РНК эффективность обратной транскрипции poly(A⁺)-РНК была выше в 5–8 раз по сравнению с обратной транскрипцией РНК, выделенной методом горячей фенольной депротилизации в присутствии тиоцианата гуанидиния.

Для выделения poly(A⁺)-фракции были проведены два цикла аффинной хроматографии суммарной клеточной РНК на oligo(dT)-целлюлозе [7]. Полученная фракция poly(A⁺)-РНК составляла около 2% исходного материала и содержала некоторое количество 18S и 28S рибосомных РНК, сохранность которых свидетельствовала об отсутствии деградации в ходе хроматографирования.

Для доказательства того, что выделенная poly(A⁺)-РНК содержит мРНК, кодирующую α -субъединицу Na^+ , K^+ -АТР-азы, и для определения точного размера этой мРНК был использован метод, основанный на гибридизации специфического олигонуклеотидного зонда с РНК. РНК была предварительно фракционирована с помощью электрофореза в агарозном геле и иммобилизована на твердом носителе. На основании данных о структуре трех пептидов триптического гидролизата α -субъединицы были синтезированы три группы 17-членных олигонуклеотидных смесевых зондов, в каждой из которых из-за вырожденности генетического кода содержалось 64 варианта нуклеотидной последовательности [8] (схема).



Оптимальные условия гибридизации с каждым из зондов подбирались эмпирически в широком интервале температур и составляли для зонда 1–40° С, зондов 2,3–44° С. Все три смесевые зонда давали полосу гибридизации с poly(A⁺)-РНК в области 25S–26S, причем эта полоса отсутствовала в poly(A⁻)-РНК (рис. 1). Кроме того, все зонды в той или иной степени неспецифически связывались с РНК, имеющими коэффициент седиментации в районе 28S и 18S (рис. 1). Для уменьшения фона, обусловленного неспецифическим связыванием олигонуклеотидных зондов, в дальнейшем использовали либо фракцию зонда 1, обогащенную специфической последовательностью с помощью ВЭЖХ, либо вновь синтезированную смесь

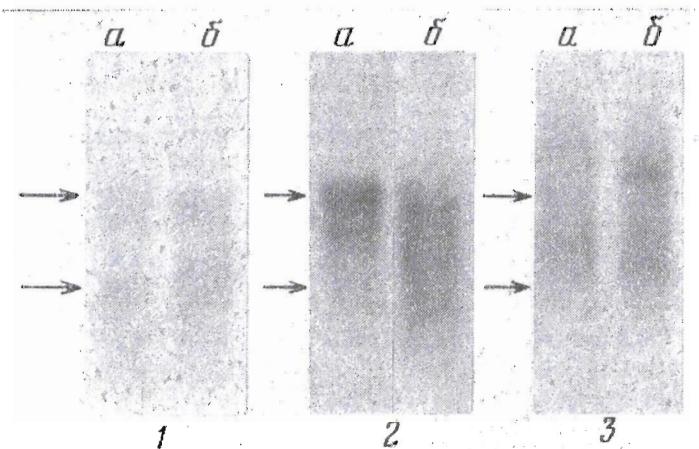


Рис. 1. Результаты гибридизации радиоактивно-меченых олигонуклеотидных зондов, кодирующих а-субъединицы Na^+ , K^+ -АТР-азы с иммобилизованной poly(A⁺)-РНК из почек свиньи. *a* – 15 мкг poly(A⁺)-РНК; *b* – 5 мкг poly(A⁺)-РНК. 1–3 – гибридизация РНК соответственно с зондами 1–3 (см. схему). Стрелками отмечено положение 28S и 18S рибосомных РНК

зондов с меньшей степенью вырожденности (например, зонд 4-*b*: 5'TT_C^TTG_A^GAAGGC_G^ATC_C^TTT3') [8].

Таким образом, результаты опытов по гибридизации мРНК со специфическими олигонуклеотидными зондами показали, что мРНК, кодирующая а-субъединицу Na^+ , K^+ -АТР-азы, содержит около 3500 оснований, что хорошо согласуется с размером полипептидной цепи белка.

Получение обогащенной мРНК, кодирующей а-субъединицу

Использование фракции poly(A⁺)-РНК, обогащенной по содержанию мРНК а-субъединицы, в качестве исходного материала для клонирования имеет большие преимущества по сравнению с нефракционированной poly(A⁺)-РНК. Обогащение мРНК а-субъединицы в 10 раз позволяет во столько же раз сократить число клонов в реиерзентативном банке кДНК, что значительно облегчает процедуру его скрининга. Обогащение poly(A⁺)-фракции РНК по содержанию мРНК а-субъединицы проводилось методом ультрацентрифугирования в градиенте концентрации сахарозы в присутствии 50%-ного формамида. В качестве материала для клонирования использовалась фракция РНК, давшая наиболее сильный сигнал гибридизации со смесевым зондом 1. Фракционирование poly(A⁺)-РНК в сахарозном градиенте позволило обогатить мРНК, кодирующую а-субъединицу- Na^+ , K^+ -АТР-азы, в 10–20 раз.

Окончательным подтверждением наличия в выделенной фракции РНК мРНК а-субъединицы явились результаты трансляции мРНК в ооцитах *Xenopus laevis* с последующей иммунохимической детекцией синтезирующейся а-субъединицы Na^+ , K^+ -АТР-азы.

По предварительным теоретическим оценкам ожидаемая концентрация синтезированной а-субъединицы должна быть довольно низкой, всего 0,2–0,3 мкг/мл. Это требует высокой аффинности антител в молоспецифических иммунных сыворотках, используемых для иммунохимической детекции при трансляции специфической РНК в ооцитах. Нами был получен набор кроличьих иммунных сывороток, различающихся как степенью денатурации использованных в качестве антигена гомогенных препаратов а-субъединицы, так и сроками иммунизации каждым из антигенов. Тестирование сывороток проводили методом иммуподиффузии и по результатам осаждения иммунного комплекса антител с меченной ¹²⁵I а-субъединицей

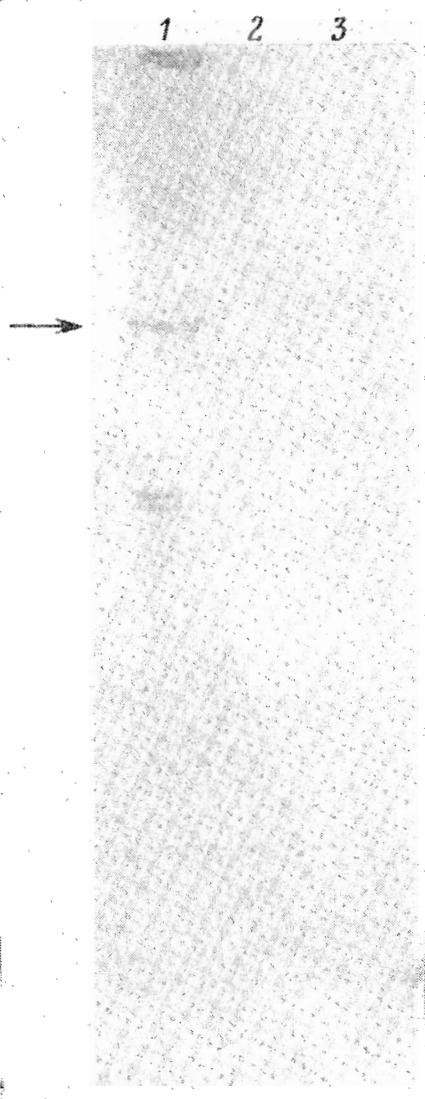


Рис. 2

Рис. 2. Результаты электрофоретического анализа иммунопреципитированных полипептидов, синтезированных в ооцитах *Xenopus laevis* при инъекции ооцитов poly(A⁺)-РНК, обогащенной по содержанию мРНК α -субъединицы (1), нефракционированной poly(A⁺)-РНК (2), буферным раствором (3) (условия см. «Экспериментальную часть»). Стрелкой отмечено положение маркерного белка α -субъединицы Na⁺, K⁺-ATP-азы из почек свиньи

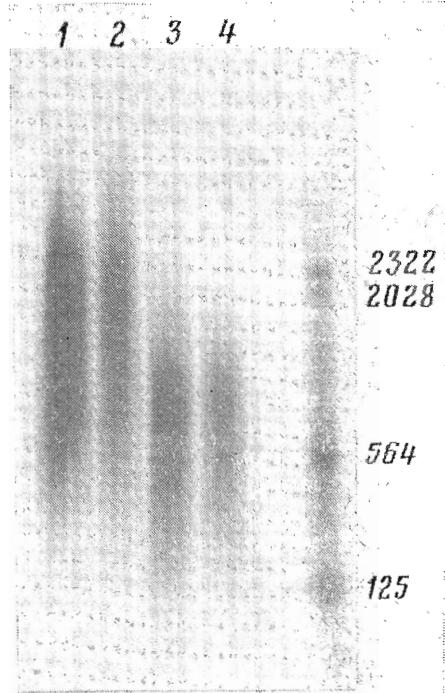


Рис. 3

Рис. 3. Электрофоретический анализ длины первой цепи кДНК, синтезированной с oligo(dT)-затравкой (1, 2) и с «рассеянной» затравкой (3, 4); 5 — гидролизат ДНК фага λ рестриктазой *Hind*III (приведена длина фрагментов в парах оснований)

Белок-А-сефарозой. Выбранная по этим тестам иммунная сыворотка осаждала 75% антигена из раствора с концентрацией 0,2 мкг/мл.

При инъекции 20 нг мРНК в один ооцит и дальнейшей инкубации в среде, содержащей [³⁵S]метионин, в экстракте, полученному из 30–50 лизированных ооцитов, после добавления антисыворотки и инкубации с Белок-А-сефарозой при электрофоретическом анализе отчетливо идентифицируется ³⁵S-меченный белок с подвижностью, соответствующей α -субъединице (рис. 2). В контрольном эксперименте — лизате неинъцированных ооцитов, а также в лизате ооцитов, инъцированных нефракционированной poly(A⁺)-РНК, этот белок не обнаруживается (рис. 2).

Синтез и клонирование кДНК

Основным критерием при подборе условий реакции синтеза первой цепи кДНК являлся синтез транскриптов, соответствующих размерам матрицы (3000 нуклеотидов и более). Для ингибирования рибонуклеазной активности, обусловленной наличием примесей РНКаз в препаратах обратной транскриптазы, в реакционную смесь добавляли ванадилрибонуклеозидные комплексы [9]. В результате аналитических экспериментов удалось подобрать условия, при которых эффективность синтеза первой цепи кДНК составляла 20–40% от количества исходной мРНК. При этом в случае инициирования синтеза первой цепи с помощью oligo(dT)_{12–18} было показано наличие транскриптов, соответствующих размерам матрицы (рис. 3).

При использовании в качестве затравки oligo(dT)_{12–18} в синтезируемом наборе кДНК достигается большая представительность 3'-концевых последовательностей матричных РНК. Для получения набора ДНК, комплементарного всем участкам мРНК, синтез первой цепи осуществлялся с использованием «рассеянной» затравки. Этот тип затравки представляет собой набор большого числа случайно выбранных олигодезоксипиклеотидов, полученных в результате статистического расщепления ДНК ДНКазой I [10]. Разнообразие этих олигонуклеотидов достаточно велико, чтобы некоторые из них оказались комплементарными последовательностям оснований матричной РНК. Следует отметить, что наиболее часто такая затравка используется для синтеза на мРНК радиоактивных зондов, применяемых в экспериментах по гибридизации. В нашем случае «рассеянная» затравка была применена для синтеза первой цепи кДНК с целью последующего клонирования и определения нуклеотидной последовательности фрагментов структурного гена α -субъединицы. Результаты анализа длины синтезированных транскриптов приведены на рис. 3. Как и следовало ожидать, с помощью oligo(dT)_{12–18}-затравки синтезируются более длинные транскрипты, чем с «рассеянной» затравкой. При этом в последнем случае выход продукта повышается в 2–2,5 раза. Синтез второй цепи кДНК проводился с помощью ДНК-полимеразы I и РНКазы Н по методике [11] с выходом 50–90% от количества первой цепи. Двухцепочечную кДНК клонировали в pBR 322, расщепленную PstI, применяя технику dG-dC-липких концов. При трансформации клеток *E. coli* M1 [12] рекомбинантной ДНК выход трансформантов составлял 10^2 – 10^3 клонов на 1 нг вставки.

При скрининге библиотеки клонов (10^5 колоний), полученной при синтезе первой цепи в присутствии «рассеянной» затравки, было найдено 17 клонов, дающих положительный сигнал при гибридизации с зондом 1-б [8]. В банке, полученной с oligo(dT)_{12–18}-затравкой ($2 \cdot 10^4$ клонов), обнаружены 2 положительных клона.

Результаты определения полной нуклеотидной последовательности, соответствующей структурной части гена α -субъединицы Na^+ , K^+ -АТР-азы, будут представлены в следующем сообщении.

Экспериментальная часть

• В работе использовались: трис и ацетат натрия (Merck, ФРГ); сахара-роза, EDTA, MgCl_2 , β -меркаптоэтанол (Sigma, США); SDS (Bio-Rad, США); ванадилрибонуклеозидные комплексы (BRL, США); Белок-А-севароза (Pharmacia, Швеция); oligo(dT)-целлюлоза, тип 7, oligo(dT)_{12–18} и дезоксирибонуклеозидтрифосфаты (P – L, США); тРНК (Boehringer, ФРГ), LiCl, NaCl, KCl и цитрат натрия квалификации ос. ч. (Союзреактив); pBR 322, расщепленная PstI с oligo(dG)-концами (NEN, США); [³⁵S]-метионин (уд. акт. 1000 Ки/моль) и [α -³²P]dCTP (уд. акт. 3000 Ки/моль) (Amersham, Англия); $\text{Na}^{[125]\text{I}}$ в щелочном растворе без носителя (уд. акт. 2050 Ки/моль) (Изотоп, Ленинград).

Обратная транскриптаза (КФ 2.7.7) с активностью 15 ед. акт./мкл в 50% глицерите была выделена А. В. Честухиным (ИБХ АН СССР) по ме-

тоду [13]; РНКаза Н (КФ 3.1.26.4) любезно предоставлена Н. В. Чичковой (межфакультетская лаборатория МГУ); ДНК-полимераза I (КФ 2.7.7.7) выделена Г. М. Долгановым (ИБХ АН СССР) по методу [14]; терминальная дезоксинуклеотидилтрансфераза — препарат фирмы Р—Л (США).

Выделение РНК. Мозговой слой почек свиньи вырезали сразу после забоя животных, быстро замораживали в жидком азоте и хранили в нем до выделения. 30 г замороженной ткани размельчали в гомогенизаторе в растворе, содержащем 3 М LiCl, 6 М мочевину, 10 mM ацетат натрия (рН 5,0), 0,1% SDS и 10 mM ванадилрибонуклеозидные комплексы. Осадок тотальной РНК обрабатывали по методу [5]. Выход составлял 0,5—1 мг на 1 г ткани. Poly(A⁺)-РНК выделяли на колонке с oligo(dT)-целлюлозой [7] с выходом 2%. Для дальнейшего обогащения poly(A⁺)-РНК центрифугировали в линейном градиенте концентрации сахараозы (5—25%) в буфере, содержащем 10 mM трис-HCl (рН 7,4), 5 mM EDTA, 50% формамид, в роторе SW-50.1 при 40 000 об/мин и 4°C в течение 24 ч. Градиент делили на 20 фракций, РНК из каждой фракции осаждали спиртом и хранили при -70°C.

Гибридизация РНК с олигонуклеотидными зондами. 5—10 мкг poly(A⁺)-РНК или 10—20 мкг poly(A⁻)-РНК анализировали электрофоретически в 1,5% агарозном геле, содержащем формальдегид [15]. Гибридизацию с олигонуклеотидными зондами проводили либо после переноса РНК на нитроцеллюлозный фильтр ([16] с. 198—199), либо непосредственно на высушенному геле (unblot) [17]. Состав прегибридизационной и гибридизационной смеси описан в работе [17]. Температура гибридизации подбиралась для каждого зонда эмпирически и составляла для зонда 1—40°C, для зондов 2 и 3 — 44°C. После гибридизации в течение 16—20 ч нитроцеллюлозный фильтр или высушенный гель отмывали при температуре гибридизации в буферном растворе, содержащем 0,33 M трис-HCl (рН 8,0), 0,5 M NaCl, 0,5% SDS, 0,1% пиросфат натрия, и экспонировали с рентгеновской пленкой РМ-В.

Иодирование Na^+ , K^+ -ATP-азы проводили по методу [18] в присутствии 1% SDS.

Тестирование антисывороток против α -субъединицы. В качестве антигена при иммунизации кроликов использовали препараты α -субъединицы в двух различных конформациях — полностью денатурированной и частично реактивированной [19]. Иммунодиффузию проводили как описано ранее [19]. Количество преципитирующегося антигена проверяли следующим образом: к 20 мкл подицированного антигена (2,5 мкг/мл) добавляли 200 мкл раствора 10 mM К-фосфатного (рН 7,0) буфера, содержащего 0,14 M NaCl, 5 mM EDTA, 5 мг/мл бычьего сывороточного альбумина, 0,5% нонидета Р-40 (PBSE/NP-40) и 20 мкл иммunoспецифической или контрольной сыворотки. Инкубировали 16 ч при 4°C, затем добавляли 40 мкл 50% суспензии Белок-А-сефарозы в растворе PBSE/NP-40 и продолжали инкубацию при 4°C еще 3 ч.

Образовавшийся тройной комплекс Белок-А-сефароза — антитело — антиген осаждали центрифугированием. Радиоактивность промытого осадка просчитывали на гамма-счетчике RiaGamma (LKB, Швеция) и по количеству осажденного антигена судили о способности сыворотки к связыванию малых количеств α -субъединицы.

По описанным тестам для дальнейшей работы была выделена сыворотка против частично реактивированной α -субъединицы, полученная после четырехкратной иммунизации в течение 6 месяцев.

Трансляция mRNA в ооцитах *Xenopus laevis* и анализ продуктов трансляции. В 30—50 ооцитов инъецировали по 60 нл раствора РНК (0,33 нг/нл в растворе 15 mM трис-HCl (рН 7,6), 88 mM NaCl). Инкубацию ооцитов с [³⁵S]метионином и их лизис проводили как описано в работе [16] (с. 320—322). Методика непрямой иммунопреципитации специфического продукта трансляции была аналогична описанной в работе [20].

Размер белка, осажденного специфической антисывороткой из лизата

инъецированных ооцитов, определяли электрофоретически в системе, предложенной Леммли [20], используя 10%-ный ПААГ.

Синтез и клонирование кДНК. Одноцепочечную кДНК синтезировали по методу [16] (с. 225–229).

Синтез второй цепи кДНК с помощью ДНК-полимеразы I и РНКазы Н проводили по методу [11]. Синтез oligo(dC)-последовательностей на 3'-концах кДНК, отжиг с расщепленной *Pst*I pBR 322 с oligo(dG)-концами и клонирование в *E.coli* MH1 [42] проводили по стандартным методикам ([11], [16], с. 234–238).

Авторы искрепенно признательны акад. Ю. А. Овчинникову и чл.-кор. Е. Д. Свердлову за постоянное внимание и ценные советы, а также А. Г. Зарайскому за помощь в проведении опытов с ооцитами.

ЛИТЕРАТУРА

1. Арзамазова Н. М., Аристархова Е. А., Шафиева Г. И., Назимов Н. В., Алданова Н. А., Модянов Н. Н. Биоорганическая химия, 1985, т. 11, № 12, с. 1598–1606.
2. Джанджугазян К. Н., Модянов Н. Н., Овчинников Ю. А. Биоорганическая химия, 1981, т. 7, № 6, с. 847–857.
3. Chirgwin J. M., Przybyla A. E., MacDonald R. J., Rutter W. J. Biochemistry, 1979, v. 18, № 24, p. 5294–5299.
4. Feramisco J. R., Helman D. M., Smart J. E., Burridge K., Thomas G. P. J. Biol. Chem., 1982, v. 257, № 18, p. 11024–11031.
5. LeMeur M., Glanville N., Mandel J. L., Gerlinger P., Palmiter R., Chambon P. Cell, 1981, v. 23, № 2, p. 561–571.
6. Aufray Ch., Rougeon F. Eur. J. Biochem., 1980, v. 107, № 2, p. 303–314.
7. Aviv H., Leder P. Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 1972, v. 69, № 6, p. 1408–1412.
8. Петрухин К. Е., Гришин А. В., Арсентян С. Г., Броуде Н. Е., Гришевич В. А., Филиппова Л. Ю., Северцова И. В., Модянов Н. Н. Биоорганическая химия, 1985, т. 11, № 12, с. 1636–1641.
9. Berger S. L., Birkenmeier C. S. Biochemistry, 1979, v. 18, № 23, p. 5143–5149.
10. Taylor Y. M., Ilmensee R., Summers Y. Biochim. et biophys. acta, 1976, v. 442, № 3, p. 324–330.
11. Gabler U., Hoffman B. J. Gene, 1983, v. 25, № 2/3, p. 263–269.
12. Casadaban M. J., Cohen S. N. J. Mol. Biol., 1980, v. 138, № 2, p. 179–207.
13. Myers Y. C., Ramirez F., Kacian D. L., Flood M., Spiegelman S. Anal. Biochem., 1980, v. 101, № 4, p. 88–96.
14. Kelley W. S., Stump K. H. J. Biol. Chem., 1979, v. 254, № 9, p. 3206–3211.
15. Lehrach H., Diamond D., Wozney Y. M., Boedtker H. Biochemistry, 1977, v. 16, № 21, p. 4743.
16. Маниагис Т., Фрич Э., Сэмброк Дж. В кн.: Методы генетической инженерии. Молекулярное клонирование. М.: Мир, 1984.
17. Meinkoth J., Whal G. Anal. Biochem., 1984, v. 138, № 2, p. 267–284.
18. Greenwood F. S., Hunter W. M. Biochem. J., 1963, v. 89, № 1, p. 114–123.
19. Джанджугазян К. Н., Модянов Н. Н., Овчинников Ю. А. Биоорганическая химия, 1981, т. 7, № 12, с. 1790–1799.
20. McDonogh A. A., Hiatt A., Edelman J. C. J. Membrane Biol., 1982, v. 69, № 1, p. 13–22.

Поступила в редакцию
5.VII. 1985

PRIMARY STRUCTURE OF Na^+ , K^+ -ATPase.

II. ISOLATION, REVERSE TRANSCRIPTION AND CLONING OF MESSENGER RNA

PETRUKHIN K. E., BROUDE N. E., ARSENYAN S. G.,
GRISHIN A. V., DZHANDZHUGAZIAN K. N., MODYANOV N. N.

M. M. Shemyakin Institute of Bioorganic Chemistry, Academy
of Sciences of the USSR, Moscow

Messenger RNA, coding for the α -subunit of the Na^+ , K^+ -ATPase, was isolated from outer medulla of pig kidney. Within 25S – 26S region the mRNA yields a band of specific hybridization with three oligonucleotide probes synthesized according to data on structures of three peptides isolated from the tryptic hydrolysate of the protein. Translation of the enriched poly(A⁺)-fraction of RNA in *Xenopus laevis* oocytes followed by the immunochemical identification of the products confirmed the presence of RNA coding for the desired protein. This RNA preparation was used for synthesis and cloning of double stranded cDNA.